

شناسایی تیپ‌های ویروس رگبرگ زرد نکروتیک چغندر (BNYVV)

عامل بیماری ریزومانیا در منطقه چناران

Detection of types of Beet Necrotic Yellow Vein *Benivirus*(BNYVV), causal agent of rhizomania in Chenaran region

اردشیر غلامی*^۱، محسن مهرور^۲ و محمدعلی سبک‌خیز^۳

تاریخ دریافت: ۸۵/۱۲/۲۵؛ تاریخ پذیرش: ۸۶/۳/۱۹

۱. غلامی، م. مهرور و م. ع. سبک‌خیز. ۱۳۸۶. ردیابی تیپ‌های ویروس رگبرگ زرد نکروتیک چغندر (BNYVV) عامل بیماری ریزومانیا در منطقه چناران. چغندرقد (۱)۲۳: ۵۵-۶۶

چکیده

ویروس رگبرگ زرد نکروتیک چغندر (BNYVV) عامل بیماری ریزومانیا می‌باشد که یکی از بیماری‌های مهم چغندرقد به شمار می‌آید. BNYVV عضو تیپ جنس بنی‌ویروس بوده و دارای چهار تیپ A، B، P و J است که از نظر جغرافیایی به مناطق خاصی محدودند. از نظر بیماری‌زایی، بین تیپ‌های A و B تفاوتی وجود ندارد ولی تیپ‌های P و J دارای یک مولکول RNA5 بوده و بسیار مهاجم‌تر می‌باشند. هیچ‌یک از این تیپ‌ها را نمی‌توان به طریق سرولوژیکی از هم تشخیص داد. به منظور شناسایی تیپ‌های ویروس عامل بیماری ریزومانیا در منطقه چناران، ۲۸ نمونه ریشه چغندرقد دارای علائم ریشه‌ریشی مشکوک به ریزومانیا، از حوزه کارخانه‌قند چناران در تابستان ۱۳۸۵ جمع‌آوری گردید. ابتدا ویروس عامل بیماری (BNYVV) توسط آزمون الایزا به روش ساندویچ دو طرفه و واکنش RT-PCR در نمونه‌ها ردیابی شد. در نمونه‌های آلوده، با استفاده از آغازگرهای اختصاصی تیپ‌های ویروس BNYVV و واکنش RT-PCR، تیپ ویروس تعیین گردید. از ۲۸ نمونه دارای علائم مشکوک به ریزومانیا، آزمون الایزا در ۲۳ نمونه و واکنش RT-PCR در ۲۵ نمونه، ویروس BNYVV را ردیابی کرد. واکنش RT-PCR توسط آغازگرهای اختصاصی تیپ، فقط قطعه‌ای به اندازه ۳۲۴ جفت باز را تکثیر نمود. به این ترتیب در کلیه نمونه‌های آلوده، ویروس عامل بیماری، تیپ A تشخیص داده شد.

واژه‌های کلیدی: الایزا، بیماری ریزومانیا، تیپ ویروس، چغندرقد، چناران، ویروس رگبرگ زرد نکروتیک چغندر (BNYVV)، PCR

*- نویسنده مسئول

gholami_ard@yahoo.com

۱- کارشناس ارشد کارخانه قند چناران.

۲- دانشجوی PhD دانشگاه Louvain-La-Neuve بلژیک

۳- کارشناس ارشد گروه گیاه پزشکی دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد

مقدمه

جنس بنی‌ویروس (*Benyvirus*) با عضو تیپ ویروس رگبرگ زردنکروتیک چغندر (*Beet Necrotic Yellow Vein Benyvirus*) (BNYVV)، در سال ۱۹۹۷ پس از اصلاح جنس فوروویروس (*Furovirus*)، توسط کمیته بین‌المللی رده‌بندی ویروس‌ها (ICTV) پذیرفته شد (Rush 2003). در این سال جنس فوروویروس براساس مطالعات مولکولی به چهار جنس جداگانه به نام‌های فوروویروس، بنی‌ویروس، پوموویروس (*Pomovirus*) و پکلوویروس (*Peclovirus*) گروه‌بندی شد (Rush 2003; Rush et al. 2006).

BNYVV عامل بیماری ریزومانیا (*Rhizomania*) است که بیماری بسیار مهمی در چغندر قند می‌باشد (Meunier et al. 2003; Rush 2003). در واقع پس از اولین گزارش این بیماری از ایتالیا در سال ۱۹۵۹، بیماری ریزومانیا از اکثر مناطق چغندرکاری جهان گزارش شده است (Rush 2003). جدایه‌های مزرعه‌ای BNYVV عموماً شامل چهار یا پنج مولکول RNA ژنومی با طول‌های مختلف می‌باشند. ولی در تلقیح‌های مکرر در گلخانه بر روی میزبان‌هایی که لکه موضعی ایجاد می‌نمایند، RNAهای کوچکتر حذف می‌شوند. فقط RNA1 و RNA2 برای آلودگی و تکثیر ضروری‌اند و RNA3 با توسعه علائم در ارتباط است. اما جدایه‌های مزرعه‌ای همیشه دارای RNA3 و RNA4 و گاهی RNA5 نیز هستند. تمامی RNAها در انتهای ۵' یک ساختار

کلاهک و در انتهای ۳' یک Poly(A) دارند. RNA1، RNA2 و RNA3 هر کدام دارای یک و RNA4 دارای شش قاب خواندنی باز (ORF) می‌باشند (Rush et al. 2006).

مشخص شده است که BNYVV شامل گروه‌های ژنوتیپی است که به مناطق جغرافیایی خاصی محدود بوده و خصوصیات بیماری‌زایی متفاوتی دارند. براساس مطالعات مولکولی، سه استرین اصلی برای BNYVV به عنوان تیپ‌های A، B و P شناسایی شد. تیپ A انتشار وسیعی داشته و از سرتاسر اروپا، امریکا، ژاپن، چین و ایران گزارش شده است. تیپ B عمدتاً از فرانسه و آلمان و گاهی از سوئد، چین و ژاپن گزارش شده است (Rush 2003; Rush et al. 2006; Schirmer et al. 2005). توالی‌های نوکلئوتیدی در جدایه‌های هریک از تیپ‌های A و B به شدت حفظ شده (بالای ۹۹ درصد) ولی بین جدایه‌های تیپ‌های A و B، سه تا شش درصد تفاوت وجود دارد. بین تیپ‌های A و B تفاوتی در بیماری‌زایی گزارش نشده و نمی‌توان آن‌ها را به طریقه سرولوژیکی از هم تشخیص داد. جدایه‌های تیپ P دارای یک مولکول RNA5 بوده و انتشار جغرافیایی نسبتاً محدودی دارند. در ابتدا آن‌ها فقط در ناحیه پیتی ویرس (Pithiviers) فرانسه یافت شدند، ولی تاکنون از قزاقستان، انگلستان، چین و ژاپن نیز گزارش شده‌اند (Rush et al. 2006). تیپ P را نیز نمی‌توان با روش‌های سرولوژیکی از A و B تشخیص داد. تیپ P دارای خواص بیولوژیکی و ژنومیکی متفاوتی از سایر تیپ‌ها است. از نظر بیماری‌زایی، تیپ

استفاده از ارقام متحمل و مقاوم می‌باشد (Asher 1993). به همین دلیل در سال‌های اخیر استفاده از این ارقام روند رو به رشدی در کشور داشته است. ولی باتوجه به سطح کشت وسیع ارقام مقاوم و خطر تغییرات ژنتیکی در ویروس عامل بیماری، لزوم بررسی تیپ‌های BNYVV در مناطق مختلف ضروری به نظر می‌رسد. اخیراً هر سه تیپ A، B و P از دو استان خراسان رضوی و شمالی گزارش شده و تیپ غالب تیپ A عنوان گردیده است (قارونی کاردانی و همکاران ۱۳۸۵). ولی باتوجه به گسترش سطح جغرافیایی تحقیق مذکور، تعیین تیپ‌های BNYVV در مناطق مختلف چغندرکاری استان ضروری به نظر می‌رسد. منطقه چناران با بیش از ۴۰۰۰ هکتار سطح زیرکشت و تولید سالانه حدود ۱۵۰ هزار تن چغندر قند (آمار تولید کارخانجات قند استان، ۱۳۸۵، منتشر نشده)، یکی از مناطق مهم چغندرکاری استان می‌باشد. بررسی اولیه پراکنش بیماری ریزومانیا در استان خراسان، نشان‌دهنده آلودگی بالای منطقه چناران به این بیماری بود (جعفرپور و همکاران ۱۳۷۹). بررسی حوزه‌های چغندرکاری کارخانه قند چناران مشخص کرد که از تعداد ۱۶۲ روستای چغندرکاری طرف قرارداد این کارخانه، اراضی ۱۲۸ روستا (۷۹ درصد) آلوده به BNYVV می‌باشند (غلامی، پراکنش بیماری ریزومانیا در مزارع حوزه کارخانه قند چناران ۱۳۸۵، منتشر نشده). بنابراین سعی شد تا در حد امکانات موجود، تیپ غالب BNYVV در این منطقه مشخص گردد.

P بسیار مهاجم‌تر از دو تیپ A و B بوده و قادر به ایجاد خسارت معنی‌دار بر روی ارقام دارای مقاومت جزئی می‌باشد. هم‌چنین تیپ P تنها تیپی است که دارای RNA5 می‌باشد (Rush et al. 2006). هر چند که تا کنون حضور تیپ‌های دارای RNA5 فقط در تعداد معدودی از نمونه‌ها تشخیص داده شده، ولی گزارشاتی مبنی بر بیماریزاتر بودن آن‌ها نسبت به سایر تیپ‌ها وجود دارد. علاوه بر این، جدایه‌های تیپ P در مقایسه با جدایه‌های دو تیپ دیگر، غلظت بیشتری از ویروس را در میزبان نشان می‌دهند. مطالعات اخیر نشان داده که تیپ P رابطه بسیار نزدیکی با تیپ A دارد، ولی تیپ P به شدت مهاجم‌تر بوده و علاوه بر چهار مولکول RNA ژنومی، دارای یک مولکول RNA5 نیز می‌باشد (Rush 2003). اخیراً نیز در بررسی فیلوژنتیکی جدایه‌های جمع‌آوری شده از کشورهای مختلف، جدایه‌های دارای RNA5 را به سه گروه تقسیم کرده‌اند. گروه JI شامل جدایه‌هایی از چین و ژاپن، گروه JII شامل جدایه‌هایی از ژاپن و گروه PIII شامل جدایه‌هایی از فرانسه، انگلستان و قزاقستان (Schirmer et al. 2005).

در ایران نیز پس از اولین گزارش بیماری ریزومانیا (ایزدپناه و همکاران ۱۳۷۵)، تاکنون مطالعات زیادی در مورد گسترش و پراکندگی این بیماری انجام شده و مشخص گردیده که اکثر مناطق چغندرکاری کشور، به این بیماری آلوده است (ارجمند و آهون منش ۱۳۷۵؛ توده‌فلاح و همکاران ۱۳۷۹). بهترین راه عملی و در دسترس کاهش خسارت این بیماری مخرب،

مواد و روش‌ها

در تابستان سال ۱۳۸۵ تعداد ۲۸ نمونه چغندر قند دارای علائم مشکوک بیماری ریزومانیا (ریشه‌ریشی بودن ریشه) از مزارع مختلف حوزه کارخانه قند چناران جمع‌آوری شد. نمونه‌ها شامل ارقام مختلف کشت شده در منطقه بودند. تعداد ۱۸ نمونه از ارقام فاقد هرگونه مقاومت به بیماری ریزومانیا و ۱۰ نمونه از ارقام مقاوم به این بیماری بودند (بر مبنای اطلاعات شرکت‌های تولیدکننده بذر). نمونه‌ها پس از انتقال به آزمایشگاه، به صورت جداگانه و با استفاده از دستکش‌های مجزا، شسته شده و در مجاورت هوا خشک شدند. سپس مقداری از ریشه‌های فرعی هر ریشه، به صورت تصادفی توسط تیغ اسکالپل استریل جدا گردیده و جهت مراحل بعدی در دمای ۲۰- درجه سانتی‌گراد نگهداری شدند.

آزمون الایزا

از هر نمونه حدود ۲۰۰ میلی‌گرم ریشه چه توزین و در داخل یک میلی‌لیتر بافر نمونه کاملاً له و عصاره‌گیری گردیدند. سپس طبق روش (Clark and Adams 1977) با کمی تغییرات، آزمون ساندویچ دو طرفه الایزا انجام شد. آنتی‌بادی‌ها از شرکت خارجی Bioreba خریداری شده بود. برای شاهد مثبت از عصاره یک نمونه آلوده تأیید شده قبلی و شاهد منفی از عصاره یک نمونه سالم استفاده شد. تغییر رنگ چاهک‌ها توسط دستگاه الایزا خوان بررسی

شد. چاهک‌های دارای طول موج بالاتر از طول موج میانگین چاهک‌های شاهد منفی به علاوه سه برابر انحراف معیار آن‌ها ($\bar{x} + 3\delta$) به عنوان نمونه‌های آلوده و طول موج‌های برابر با طول موج مذکور به عنوان مشکوک و کمتر از آن به عنوان منفی در نظر گرفته شد.

استخراج RNA

استخراج RNA توسط کیت جداسازی RNA (Promega, USA) انجام شد. حدود ۱۷۱ میلی‌گرم از مخلوط ریشه‌چه‌های هر نمونه، در داخل یک میلی‌لیتر بافر RLA کاملاً له شده و سپس طبق دستورالعمل کیت، استخراج انجام گردید. برای شاهد مثبت از یک نمونه آلوده تأیید شده قبلی استفاده شد ولی به علت محدودیت کیت استخراج، شاهد منفی در نظر گرفته نشد. RNAها در دمای ۲۰- درجه سانتی‌گراد نگهداری شدند.

واکنش RT-PCR

جهت واکنش نسخه‌برداری معکوس (RT)، یک میکرولیتر RNA استخراج شده به ۸/۵ میکرولیتر آب مقطر خالص و یک میکرولیتر آغازگر پایین دست (Rev پرایمر) افزوده شد. مخلوط حاصل برای ۱۰ دقیقه در ۶۵ درجه سانتی‌گراد نگهداری و سپس مستقیماً بر روی یخ منتقل شد. در مرحله بعد ۳/۲۵ میکرولیتر آب مقطر خالص، چهار میکرولیتر RT بافر، دو

حرارت دستگاه ابتدا سه دقیقه در ۹۴ درجه سانتی‌گراد، سپس ۳۵ چرخه حرارتی به صورت ۳۰ ثانیه در ۹۴ درجه سانتی‌گراد، ۳۰ ثانیه در ۵۸ درجه سانتی‌گراد و دو دقیقه در ۷۲ درجه سانتی‌گراد و در پایان نیز هفت دقیقه در ۷۲ درجه سانتی‌گراد تنظیم شد. نمونه‌ها پس از PCR به مدت حدود ۴۵ دقیقه در ۷۵ ولت ثابت بر روی ژل آگارز یک درصد رانده شدند. ژل در محلول اتیدیوم بروماید با غلظت ۰/۵ $\mu\text{g/ml}$ رنگ‌آمیزی گردید.

جهت ردیابی BNYVV در نمونه‌ها از آغازگرهای (1)BNYVV2، جهت تعیین تیپ A از آغازگرهای (AF and AR) BNYVVRhizo، جهت ردیابی تیپ B، از آغازگرهای BNYVVRhizo (BF and BR) و جهت ردیابی تیپ P از آغازگرهای (1)BNYVV5 استفاده شد (جدول ۱) (Ratti et al. 2005).

میکرولیتر ۰/۲۵، dNTPs (10 mM)، میکرولیتر آنزیم رونوشت‌برداری برگردان (M-MuLVRT) به مخلوط قبلی اضافه شد و برای ۶۰ دقیقه در ۴۲ درجه سانتی‌گراد قرار داده شد. این مخلوط نیز بر روی یخ منتقل شد.

واکنش PCR

برای PCR، ۲/۵ میکرولیتر از cDNA به دست آمده در مرحله قبل را با ۱۵/۵ میکرولیتر آب مقطر خالص، ۲/۵ میکرولیتر Taq بافر، ۰/۵ میکرولیتر آغازگر پایین دست (پرایمر Rev)، ۰/۵ میکرولیتر آغازگر بالا دست (پرایمر For)، ۰/۷۵ میکرولیتر dNTPs (10mM)، ۲/۵ میکرولیتر MgCl_2 (25 mM) و ۰/۲۵ میکرولیتر Taq پلی‌مراز (سیناژن، ایران) مخلوط کرده و مخلوط حاصل در دستگاه PCR (مدل Biometra Germany) قرار داده شد. برای نشانگر اندازه باند از نشانگر 100bp DNA Ladder استفاده گردید. درجه

جدول ۱ توالی آغازگرها و اندازه قطعات حاصله

آغازگر Primer	توالی Sequence 5'-3'	اندازه قطعات Products size (bp)
BNYVV2(1)For	ACA TTT CTA TCC TCC TCC AC	545
BNYVV2(1)Rev	ACC CCA ACA AAC TCT CTA AC	
RhizoAF	TAA TAG TAT CAC TGT TAC AAC GA	324
RhizoAR	GAT ATA ATG GTA AAA AGA GGT GAC	
RhizoBF	TTG GGC AGC AAC TTA	178
RhizoBR	TCA GTA TGT TGT ACT CAC CGT	
BNYVV5(1)For	GAT GTT GCC ACA AAT TTC CC	884
BNYVV5(1)Rev	TAA ACG AGC CCG TAA ACA CC	

تغییر رنگ چاهک‌ها توسط دستگاه الیزاخوان

بررسی شد. از تعداد ۲۸ نمونه آزمایش شده، ۲۲ نمونه

نتایج

ردیابی BNYVV توسط آزمون الیزا

بحث

از تعداد ۲۸ نمونه چغندر قند دارای علائم ریشه‌ریشی مشکوک به ریزومانیا، با استفاده از آزمون الایزا تعداد ۲۲ نمونه آلوده و توسط RT-PCR تعداد ۲۵ نمونه آلوده به ویروس BNYVV بودند که نشان دهنده درصد بالای آلودگی منطقه به ریزومانیا می‌باشد (مطابق بررسی‌های قبلی، جعفرپور و همکاران ۱۳۷۹). نتایج ردیابی BNYVV توسط دو روش الایزا و RT-PCR، نشان‌دهنده حساسیت و دقت بیشتر روش RT-PCR بود. به طوری که نمونه‌هایی که در الایزا مشکوک به آلودگی بوده و نیز یکی از نمونه‌های منفی آن (نمونه شماره ۱۲)، در RT-PCR مثبت بودند (جدول ۲). هرچند که نواحی تکثیر شده آن‌ها بر روی ژل آگارز ضعیف بوده و نشان‌دهنده غلظت پایین ویروس در آن‌هاست. هرچند آزمایشات مقایسه‌ای بین این دو روش نشان داده که برخی مواقع نمونه‌هایی هم بوده که در الایزا مثبت‌اند ولی در RT-PCR منفی شده‌اند. اگرچه تفسیری برای آن ارائه نشده است (Meunier et al. 2003; Harju et al. 2005).

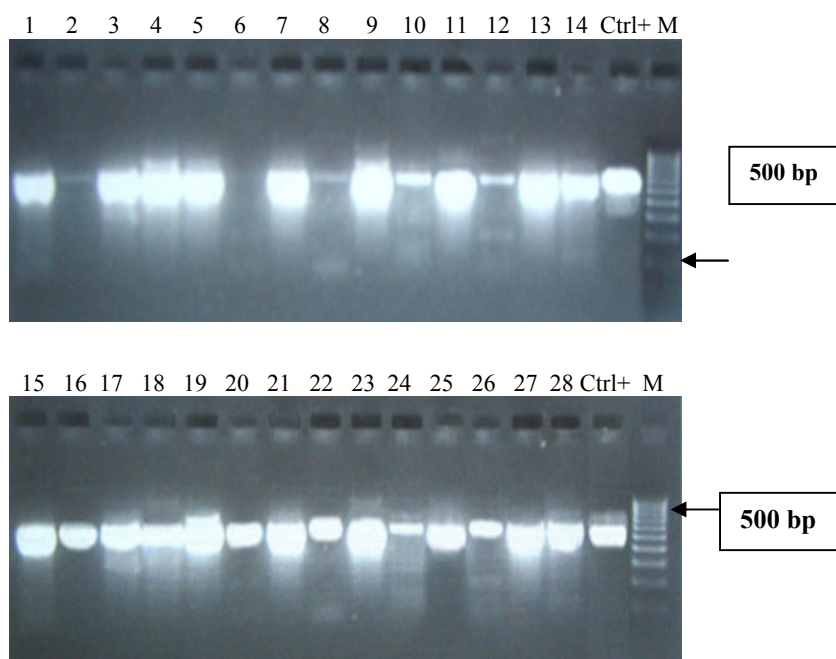
آلوده (مثبت)، دو نمونه مشکوک به آلودگی و چهار نمونه غیر آلوده (منفی) بودند (جدول ۲).

ردیابی BNYVV توسط RT-PCR

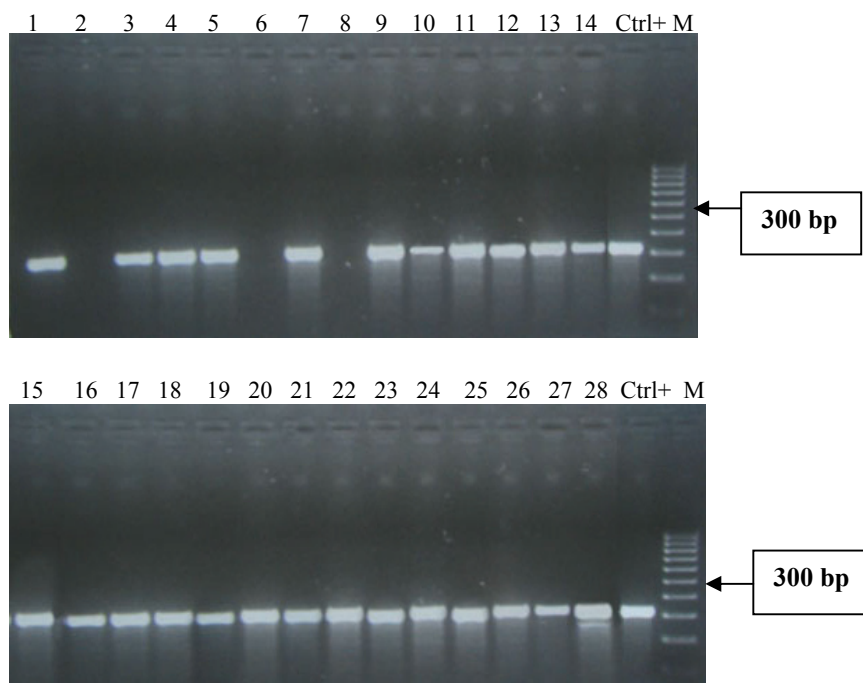
نتایج RT-PCR با استفاده از آغازگرهای BNYVV2(1) بر روی ژل آگارز یک درصد نشان داد که تعداد ۲۵ نمونه آلوده به BNYVV هستند (جدول ۲). با استفاده از نشانگر اندازه و شاهد مثبت، ظهور قطعات تکثیر شده در ناحیه ۵۴۵ bp، نشان‌دهنده حضور BNYVV در نمونه‌ها بود (شکل ۱).

ردیابی تیپ BNYVV توسط آغازگرهای اختصاصی

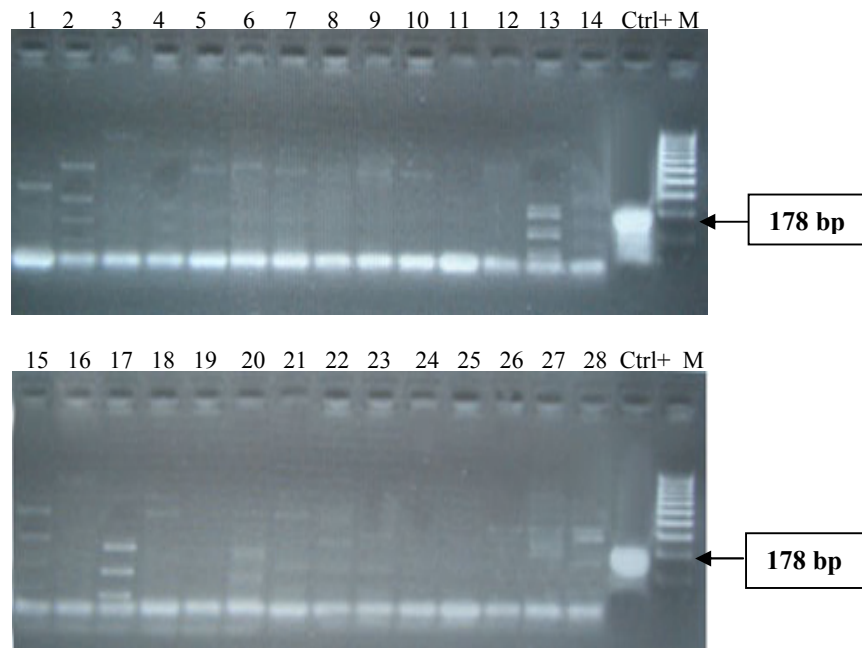
ظهور قطعات تکثیر شده در ناحیه ۳۲۴ bp توسط آغازگرهای Rhizo(A) با استفاده از نشانگر اندازه و شاهد مثبت، مشخص کرد که تمامی نمونه‌های آلوده، از نوع تیپ A می‌باشند (شکل ۲). بر روی ژل آگارز حاصل از RT-PCR توسط آغازگرهای اختصاصی تیپ‌های B و P، هیچ‌گونه قطعه تکثیر شده‌ای مشاهده نشد (شکل‌های ۳ و ۴).



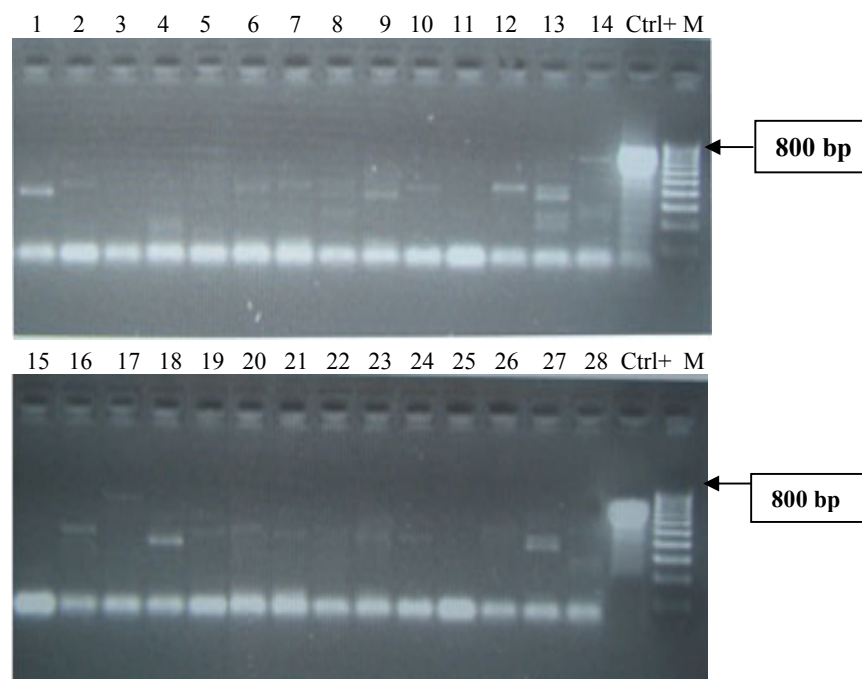
شکل ۱ ردیابی ویروس BNYVV با استفاده از آغازگرهای اختصاصی ویروس. M نشانگر اندازه باند و Ctrl+ شاهد دارای ویروس می باشد



شکل ۲ ردیابی تیپ A ویروس BNYVV با استفاده از آغازگرهای اختصاصی تیپ. M نشانگر اندازه باند و Ctrl+ شاهد تیپ A می باشد



شکل ۳ ردیابی تیپ B ویروس BNYVV با استفاده از آغازگرهای اختصاصی تیپ. M نشانگر اندازه باند و Ctrl+ شاهد تیپ A می باشد



شکل ۴ ردیابی تیپ P ویروس BNYVV با استفاده از آغازگرهای اختصاصی تیپ. M نشانگر اندازه باند و Ctrl+ شاهد تیپ A می باشد

جدول ۲ محل نمونه برداری، ارقام و نتایج آزمون الایزا، RT-PCR و تشخیص تیپ BNYVV

شماره نمونه	محل نمونه برداری	رقم	ردیابی ویروس توسط	ردیابی ویروس توسط	تیپ ویروس
			الایزا	RT-PCR	
۱	موچنان	R	+	+	A
۲	موچنان	R	-	-	-
۳	موچنان	S	+	+	A
۴	عرب آباد	S	+	+	A
۵	عرب آباد	S	+	+	A
۶	چمن گاوباغ	S	-	-	-
۷	چناران	S	+	+	A
۸	رضا آباد شرقی	R	-	-	-
۹	عرب آباد	R	+	+	A
۱۰	بهر آباد	R	D	+	A
۱۱	جوقان	S	+	+	A
۱۲	قزلحصار	R	-	+	A
۱۳	قزلحصار	S	+	+	A
۱۴	کلاته سادو	S	+	+	A
۱۵	شادیاخ	S	+	+	A
۱۶	شادیاخ	S	+	+	A
۱۷	جمهوری	S	+	+	A
۱۸	جمهوری	S	+	+	A
۱۹	حسین آباد	S	+	+	A
۲۰	سید آباد	S	+	+	A
۲۱	سید آباد	S	+	+	A
۲۲	چهچه	R	+	+	A
۲۳	چهچه	R	+	+	A
۲۴	سلطان آباد	R	D	+	A
۲۵	خیرآباد شرقی	S	+	+	A
۲۶	گروه	R	+	+	A
۲۷	اخلمد	S	+	+	A
۲۸	اخلمد	S	+	+	A

(+) نمونه آلوده به BNYVV، (-) نمونه غیر آلوده به BNYVV، (D) نمونه مشکوک، (R) رقم مقاوم، (S) رقم حساس

پراکنش بسیار محدود این دو تیپ (خصوصاً تیپ P)، حتی در نمونه برداری مجدد از مناطقی که تیپ P از آن‌ها توسط قارونی و همکاران گزارش شده بود، تیپ P ردیابی نشد (مهرور، اطلاعات منتشر نشده). به علت

بررسی تیپ ویروس در منطقه نیز نشان داد که تیپ غالب، تیپ A می‌باشد. هرچند در بررسی‌های قارونی کاردانی و همکاران (۱۳۸۵) تیپ‌های B و P نیز از استان خراسان گزارش شده است. ولی به علت

روش ELISA تعداد پنج نمونه مثبت، سه نمونه منفی و دو نمونه مشکوک بوده ولی با استفاده از RT-PCR که روش حساس تری است، تنها دو نمونه منفی بودند. لازم به ذکر است که نمونه های مذکور دارای علائم مشخصه بیماری با درجات مختلفی از شدت آلودگی بودند و اگر چه در هر دو روش غلظت ویروس در اکثر این ارقام پایین بود ولی در سه نمونه نیز غلظت بالایی داشتند (نمونه های یک، نه و ۲۳). پس لازم است بررسی های دقیقی به عمل آید تا مشخص شود که ظهور علائم در این ارقام مقاوم به علت آلودگی های مخلوط می باشند و یا میزان بالای مایه تلقیح یا شرایط محیطی مساعد برای بیماری موجب شکستن مقاومت شده و یا اینکه جدایه های مهاجم تری از BNYVV بوجود آمده اند.

بنابراین بررسی های دقیق در مورد توالی ژنومی جدایه های BNYVV در مناطق مختلف کشور و تعیین تیپ و توالی ویروس هایی که موجب بروز علائم روی ارقام مقاوم رایج در منطقه می گردند، بسیار ضروری می باشد.

سپاسگزاری

از گروه محترم گیاه پزشکی دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد و به خصوص از مساعدت های فراوان سرکار خانم دکتر مهدیخانی مقدم (مدیر گروه) قدردانی می شود. از مدیر محترم بخش کشاورزی کارخانه قند چناران به خاطر همکاری در جمع آوری نمونه ها تشکر می گردد. از آقای مهندس عالی منش

جمعیت های بسیار پایین تیپ P، حتی در سایر کشورهای بررسی شده نیز گاهی این عدم نتایج یکنواخت در آزمایشات از یک منطقه مشاهده شده است (Harju et al. 2005; Scirmer et al. 2005).

هم چنین باید توجه داشت که کشت وسیع ارقام متحمل دارای یک منبع منفرد مقاومت به ریزومانیا، باعث افزایش فشار انتخاب بر روی BNYVV شده و برای تولید چغندر قند یک خطر جدی است. زیرا وقتی چنین فشارهای انتخابی وجود داشته باشد، تغییر در جمعیت ویروس غیره منتظره نیست، همان گونه که در سال ۲۰۰۲ در مزارعی در کالیفرنیا و مینسوتای امریکا، علائم شدید بیماری در دو مزرعه کشت شده با ارقام مقاوم، به صورت پراکنده مشاهده شد و بررسی ها نشان داد که هیچ گونه RNA5 در ویروس موجود در این چغندرها وجود نداشته و آن ها تیپ A می باشند. اگرچه آنالیز ژن P25 بر روی RNA3، تغییراتی را در چند وضعیت نوکلئوتیدی تأیید کرد، ولی دقیقاً مشخص نشد که آیا این تغییرات با بیماری زایی مرتبط است یا خیر. سپس در سال ۲۰۰۳ در پنج مزرعه، ۲۰۰۴ در ۲۶ مزرعه و ۲۰۰۵ در ۲۸ مزرعه از مزارع کشت شده با ارقام مقاوم، علائم شدید بیماری ریزومانیا مشاهده گردید (Rush et al. 2006). در استان خراسان نیز طی سال های اخیر به صورت پراکنده بروز علائم شدید بیماری ریزومانیا بر روی ارقام مقاوم مشاهده شده است (گزارشات شفاهی کارخانجات قند استان). چنانچه در بررسی اخیر نیز تعداد ۱۰ نمونه از نمونه ها، از ارقام مقاوم رایج در منطقه بودند که با

دانشجوی کارشناسی ارشد بیماری‌شناسی گیاهی به
 جهت همکاری و کمک در انجام برخی مراحل
 آزمایشگاهی قدردانی می‌شود. از آقای دکتر سیدباقر
 محمودی به خاطر راهنمایی‌های ارزنده‌شان
 سپاسگزاری می‌گردد.

References:

منابع مورد استفاده:

- ارجمند، م. ن. و آهون منش، ع. ۱۳۷۵. ریزومانیا بیماری نوظهور چغندر قند. مجله علمی- پژوهشی چغندر قند. ۱۲ (۲ و ۱): ۶۲-۷۱.
- ایزدینا، ک. هاشمی، پ. کامران، ر. پاک نیت، م. سهندپور، آ. و معصومی، م. ۱۳۷۵. وجود گسترده بیماری ریشه‌ریشی (شبه ریزومانیا) در استان فارس. مجله بیماری‌های گیاهی. ۳۲ (۴ و ۳): ۲۰۰-۲۰۶.
- توده فلاح، م. ارجمند، م. ن. و محمودی، ب. ۱۳۷۹. بررسی وضعیت آلودگی و پراکنش بیماری ریزومانیا چغندر قند در ایران. خلاصه مقالات چهاردهمین کنگره گیاه پزشکی ایران-اصفهان. جلد دوم. ص ۷۲.
- جعفرپور، ب. جعفرپور، ب. و فلاحتی رستگار، م. ۱۳۷۹. بررسی و تعیین پراکنش ویروس موزائیک چغندر (BtMV) و ویروس رگبرگ زردنکروتیک چغندر (BNYVV) در شمال خراسان. پایان‌نامه کارشناسی ارشد بیماری‌شناسی گیاهی. دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد. ص ۱۳۲.
- قارونی کاردانی، س. جعفرپور، ب. و فلاحتی رستگار، م. ۱۳۸۵. شناسایی تیپ‌های ویروس رگبرگ زردنکروتیک چغندر (BNYVV) در استان‌های خراسان شمالی و رضوی. پایان‌نامه کارشناسی ارشد بیماری‌شناسی گیاهی. دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد. ص ۱۸۵.
- Asher MJC (1999) A continental view of Rhizomania. Brit. Sugar Beet Rev. 67(1): 28-33
- Clark MF, Adams AN (1977). Characteristics of the microplate method of enzyme- linked immunosorbent assay for the detection of plant viruses. J. Gen. Virol. 34: 475 – 483.
- Harju VA, Skelton A, Clover GRG, Ratti C, Boonham N, Henry CM, Mumford RA (2005) The use of real time RT-PCR (Taq Man) and post-ELISA virus release for the detection of Beet necrotic yellow vein virus types containing RNA5 and its comparison with conventional RT-PCR. Jour. Viro. Meth. 123: 73-80
- Meunier A, Schmit JF, Stas A, Marlier A, Wauters A, Steyer S, Bragard C (2003) The status of rhizomania in Belgium. Viro. 328: 120-132

- Ratti C, Clover GRG, Harju VA, Henry CM (2005) A multiplex RT-PCR assay capable of distinguishing beet necrotic yellow vein virus types A and B. *Jour. Virol. Meth.* 124: 41-47
- Rush CM (2003) Ecology and epidemiology of Benyviruses and Plasmodiophorid vectors. *Annu. Rev. Phytopatho.* 41: 567-92
- Rush CM, Liu HY, Lewellen RT, Acosta-leal R (2006) The continuing saga of rhizomania of sugar beet in the United States. *Plant Disease.* 90: 4-15
- Schirmer A, Link D, Cognat V, Moury B, Beuve M, Bragard C, Gilmer D, Lemaire O (2005) Phylogenetic analysis of isolates of Beet necrotic yellow vein virus collected worldwide. *Jour. Gene. Virol.* 86: 2897-2911