

خون

فصلنامه علمی پژوهشی
زمستان ۸۳ سال ۱ شماره ۲

تولید آلبومین سرم انسانی نوترکیب در مخمر متیلوکتروف هانسونلاپلی مورفا

لیا عباسی محب^۱، مهدی منتظر حقیقی^۲، علیرضا قمری^۳، بهزاد ادبی مطلق^۴، دکتر حوری رضوان^۵، دکتر مایکل پویتک^۶
دکتر استفان هل وگ^۷، دکتر علی اکبر پور فتح الله^۸، دکتر کیمیا کهریزی^۹، دکتر حسین نجم آبادی^{۱۰}

چکیده

سابقه و هدف

آلبومن عمدۀ ترین پروتئین پلاسمایی باشد. این پروتئین نه تنها به عنوان حامل بسیاری از ماکروملکول‌ها در بدن نقش عمدۀ ایفا می‌کند بلکه نقش مهمی در تنظیم فشار اسمزی دارد. امروزه از آلبومین در درمان خونریزی‌ها و سوختگی‌های شدید و هم‌چنین در درمان افراد مبتلا به کمبود آلبومین استفاده می‌شود. مصرف سالیانه آلبومین در دنیا حدود ۴۵۰ تن می‌باشد. بهمنظور برطرف کردن این نیاز و تولید آلبومین عاری از هرگونه آلودگی از روش‌های بیوتکنولوژی استفاده گردیده است.

در این تحقیق از مخمر هانسونلاپلی مورفا که امروزه در سطح وسیعی به منظور تولید پروتئین‌های هترولوجی به کار برده می‌شود، برای آلبومین انسانی نوترکیب استفاده گردیده است.

مواد و روش‌ها

مطالعه انجام شده از نوع تجربی (experimental) است. بهمنظور تولید پروتئین آلبومین نوترکیب و هم‌چنین بهینه سازی شرایط تولید از سوش RB-11 Hanesonlaapli Moryfa به عنوان میزان استفاده گردید. پلاسمید pFMPT-MFα cDNA آلبومین تحت کترل پرومотор FMD با استفاده از روش الکتروپوریشن داخل میزان شد و سپس تحت شرایط مختلف با بررسی پارامترهایی نظیر زمان انکوباسیون، محیط کشت، دما و مهارکننده‌های پروتکتازی بیان آلبومین مورد بررسی قرار گرفت. آلبومین تولید شده با روش‌هایی هم‌چون الایزا، HPLC و Western Blot ارزیابی شد.

یافته‌ها

در طی این تحقیق چهار عامل مهم در بیان پروتئین آلبومین مورد مطالعه قرار گرفت و مشخص گردید که از بین سه محیط derepression، YNB 1% Glycerol with buffer، YNB 1% Glycerol و YNB 1% Glycerol with buffer و از بین سه دمای ۲۵، ۳۰ و ۳۷ درجه سانتی گراد دمای ۳۷ درجه و از بین سه زمان انکوباسیون، ۲۴، ۴۸ و ۷۲ ساعت، مدت ۴۸ ساعت با حضور آنتی پروتئازها بیشترین میزان تولید آلبومین به دست آمد.

نتیجه‌گیری

بالاترین میزان تولید شده تحت شرایط بهینه به دست آمده در مقیاس آزمایشگاهی، ۱۷/۶ mg/l را نشان داد. از سوی دیگر با استفاده از این سوش در شرایط نیمه صنعتی، میزان ۱/۴۷۸ mg آلبومین تولید شد و این امر نشان‌دهنده آن است که می‌توان تولید پروتئین آلبومین را در شرایط ابوجه ادامه داد.

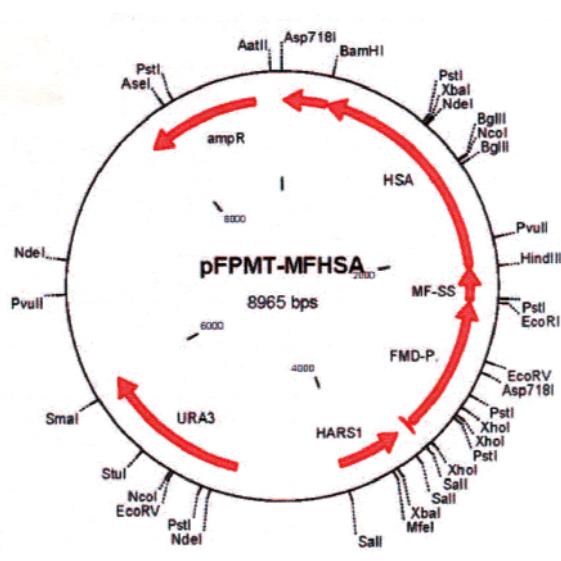
کلمات کلیدی: آلبومین سرم انسانی، مخمر هانسونلاپلی مورفا، آلبومین نوترکیب

-
- ۱- مؤلف مسؤول: کارشناس ارشد زنیک - مریم مرکز تحقیقات زنیک دانشگاه علوم بهزیستی و توانبخشی
 - ۲- کارشناس ارشد زنیک - مرکز تحقیقات زنیک دانشگاه علوم بهزیستی و توانبخشی
 - ۳- کارشناس ارشد بیوشیمی - مرکز تحقیقات سازمان انتقال خون ایران، بخش تحقیق و توسعه Ph.D
 - ۴- بیوشیمی - مرکز تحقیقات سازمان انتقال خون ایران، بخش تحقیق و توسعه Ph.D
 - ۵- زنیک - دانشگاه دولتی دوسلدورف آلمان
 - ۶- Ph.D ایمونولوژی - دانشیار مرکز تحقیقات سازمان انتقال خون ایران و دانشگاه تربیت مدرس
 - ۷- متخصص اطفال - استادیار مرکز تحقیقات زنیک دانشگاه علوم بهزیستی و توانبخشی
 - ۸- Ph.D زنیک ملکولی - سرپرست مرکز تحقیقات زنیک و دانشیار دانشگاه علوم بهزیستی و توانبخشی

مواد و روش‌ها

مشخصات سوثر و یلامید

مخرم استفاده شده در این مطالعه، هانسونلا پلی مورفای RB-11 آگزوتروفیک به یوراسیل بود که از سوش وحشی ATCC35438 به دست آمده است (۸). پلاسمید pFPMTMFαHSA دارای ژن HSA برای بیان پروتئین آلبومین می باشد که توسط محققان دانشگاه دوسلدورف آلمان طراحی شد. پلاسمید فوق دارای پرومومتور FMD می باشد که قابل القا با متابول است. این پلاسمید دارای ژن MOX (353bp) ترمیناتور (1760pb) HSA cDNA و قطعه سیگنال پیتید (255bp) مشتق از ساکارومیسین سروزیریه می باشد. این پلاسمید حاوی توالی HARS⁺ و URA3 و amp^R است که از پلاسمید مارکرهای انتخابی pFPMT121 مشتق شده است (شکل ۱).



شكل ۱: نقشه پلاسمید pFMT-MF α را نشان می دهد، شامل FMD (Fumarate Dehydrogenase) که نقش پروموتور را بر عهده دارد. MF α (Mating Factor) به عنوان سیگنال بیتید، قطعه الحقق شده cDNA ژن آلبومین و ترمیناتور MOX هم چنین ژن یوراسیل و HARS ژن مقاوم به آمپی سیلین بعنوان مارکر انتخابی و توالي ۱ به عنوان Ori در این پلاسمید قابل مشاهده است.

- 1- Human Serum Albumin
- 2- Hansenula Autonomus Replication Sequence

٤٩

آلبومنین سرم انسانی اصلی ترین ترکیب پروتئین پلاسمای انسان است. این پروتئین ازیک زنجیره پلی پپتیدی ۵۸۵ اسید آمینه‌ای فاقد قند به وزن ملکولی $66/5\text{KD}$ تشکیل شده است (۱).

این ملکول قطبی بوده و دارای سه ناحیه است (۲). میزان آلبومین در پلاسما 42 ± 3 $\mu\text{g/l}$ می‌باشد. HSA^۱ در کبد تولید شده و مسؤول نگهداری فشار اسمزی خون است. آلبومین همچنین به عنوان یک ناقل برای بسیاری از ملکول‌های کوچک عمل کرده و از نظر کلینیکی، برای درمان هیپوالبومینمی در شوک‌های حاصل از ضربه استفاده می‌شود (۳، ۴، ۵).

امروزه آلبومن با استفاده از روش Cohn از پلاسمای بدهست می‌آید. از این‌رو به‌دلیل استفاده از منابع خونی، همواره یک خطر بالقوه برای آلوگی HSA با پاتوژن‌های خون نظیر ویروس‌های ایدز و هپاتیت B وجود دارد. علاوه بر آن در بسیاری از کشورها از جمله ژاپن، منابع پلاسمایی محدود است. به‌طور مثال در این کشور فقط ۲۶ درصد آلبومن تولید شده از منابع پلاسمای داخلی تهیه می‌شود (۶).

بنابراین با توجه به این محدودیت‌ها و به منظور امکان دستیابی به مقادیر بیشتر و هزینه کمتر، دستیابی به یک روش جایگزین صنعتی و بی‌خطر برای تولید آلومین، موردنظر محققان اکثر کشورهای دنیا از جمله ایران قرار گرفته است تا نه تنها بتوان نیاز داخلی را به این محصول پر مصرف برطرف کرد بلکه زمینه صادرات آن نیز فراهم شود.

مصرف سالیانه آلبومین در دنیا ۴۵۰ تن است که می‌تواند یک تضمین خوب برای بازار مصرف محصول باشد. به منظور بر طرف کردن این نیاز و تولید آلبومین عاری از هرگونه آلودگی، از روش‌های بیوتکنولوژی استفاده گردیده است. (۷)

در این راستا این تحقیق با هدف تولید آلبومین نوترکیب با استفاده از مخمر هانسونلا پلی مورفا انجام گرفت و همچنین اثر پارامترهای موثر در میزان بیان HSA در این مخمر ارزیابی گردید.

خون

فصلنامه پژوهشی

زمستان ۸۳، سال ۱، شماره ۲

شد(1) OD=۰/۳g/۱۰ وزن خالص سلول‌های هانسونلا پلی مورفا است). بهمنظور جداسازی سلول‌ها، محیط‌های حاوی سلول‌های مخمر با ۲۵۰ دور در دقیقه سانتریفیوژ (HERMLE مدل Z ۳۲۰) شدند و سپس رسوب سلولی با آب مقطر استریل مخلوط شد. از این سوسپانسیون سلولی به منظور تلقیح ۳ فلاسک ۵۰۰ میلی‌لیتر حاوی ۵۰ میلی‌لیتر از محیط‌های ذکر شده استفاده شد. این فلاسک‌ها به طور جداگانه در سه دمای مختلف ۳۰، ۲۵ و ۳۷ درجه سانتی‌گراد در انکوباتور شیکر دار انکوبه شدند (۱۱).

متغیر دما

به علت سازگاری هانسونلا پلی مورفا با دامنه وسیعی از دما یعنی از ۲۵ تا ۴۰ درجه سانتی‌گراد، سه دمای مختلف انکوباسیون (۲۵، ۳۰ و ۳۷ درجه سانتی‌گراد) را هم به صورت مجزا و هم در رابطه با دیگر پارامترها مورد مطالعه قرار گرفت (۱۲).

متغیر آنتی پروتئاز

مخلوط آنتی پروتئازی حاوی ۱M Pepestatin، ۲۰۰µM EDTA، ۱µM Leupeptin، ۲۰۰µM PMSF با تیترهای مختلف (۱/۱۰، ۱/۲۰، ۱/۴۰، ۱/۶۰، ۱/۸۰) به محیط‌های کشت اضافه شد. بعد از ۴۸، ۷۲ و ۱۰۰ ساعت زمان انکوباسیون در ۳۰، ۲۵ و ۳۷ درجه سانتی‌گراد غلظت HSA مورد ارزیابی قرار گرفت (تمام آنتی پروتئازها از شرکت DAKO خریداری شده بود) (۷).

زمان انکوباسیون

سه زمان انکوباسیون مختلف ۴۸، ۷۲ و ۲۴ ساعت بهمنظور دستیابی به بالاترین میزان HSA ترشحی بررسی شد.

آنالیز RNA با استفاده از RT-PCR

RNA مخمری توسط روش تریزول (با استفاده از کیت High isolation kit Roche) جداسازی شد و به عنوان الگویی برای ساخت cDNA مورد استفاده قرار گرفت. واکنش زنجیره‌ای پلیمراز (PCR) در یک مرحله انجام شد. قطعه ۷۷۰bp cDNA ژن HSA با استفاده از

ترانسفورماسیون هانسونلا پلی مورفا و غربال سلول‌های HSA

ترانسفورماسیون هانسونلا پلی مورفا و پایدارسازی سلول‌های ترانسفورم شده طبق روش الکتروپوریشن انجام شد (۹). بعد از ترانسفورماسیون، سلول‌های ترانسفورم شده تا حدود ۸۰ بارطی مراحل متناوب کشت بدون تغییر شرایط تکثیر یافته‌اند. پلاسمیدها به صورت ردیفی (سر به انتهای) درون ژنوم مخمرالحق شدند. بهمنظور حذف پلاسمیدهای غیرالحقیقی، دو مرحله پایدارسازی تحت شرایط غیر انتخابی انجام شد.

در مرحله بعدی سلول‌های ترانسفورم شده که پلاسمید الحاقی ندارند از طریق فرآیند غربالی حذف شدند.

سلول‌های ترانسفورم شده انتخابی بر روی محیط YPD [۲% (v/w) peptone, ۱% (v/w) Yeast extract, ۲% (v/w) glucose]

به منظور نگهداری کشت داده شدند (۱۰).

کشت درون فلاسک

برای بهینه سازی بیان HSA در هانسونلا پلی مورفا، چندین پارامتر مورد مطالعه قرار گرفت. این پارامترها عبارتند از محیط‌های کشت مختلف، دمای انکوباسیون، آنتی پروتئازها و زمان انکوباسیون. اثر تمام پارامترها برای بیان HSA هم به صورت مجزا و هم در ارتباط با یکدیگر مورد مطالعه قرار گرفتند.

محیط کشت و شرایط کشت

یک تک کلنی از سوش تولیدکننده HSA از پلیت Stock حاوی مخمربرداشته شد و درون ۳ میلی‌لیتر محیط YPD مایع کشت داده شد. این محیط‌ها در سه دمای مختلف ۳۰، ۲۵ و ۳۷ درجه سانتی‌گراد در انکوباتور شیکردار با ۱۸۰ دور در دقیقه انکوبه شدند.

از این محیط‌ها برای تلقیح محیط‌های (YNB 1% Glycerol with phosphate 0.5M buffer, YNB 1% Glycerol without buffer, YP 1% Glycerol) استفاده شد. میزان رشد سلول‌ها از طریق اندازه گیری OD محيط کشت در طول موج ۶۶۰ نانومتر با استفاده از دستگاه اسپکتروفتوometر (Biophotometr Eppendorf) مدل مشخص

نمونه و عبور محلول شستشو (بافر فسفات pH=۶/۷ ۰/۱M) استفاده شد.

جذب نوری پروتئین‌های موجود در نمونه در ۲۸۰nm اندازه گیری و منحنی مربوطه رسم شد.

اندازه گیری آلبومین با روش Elisa

- ۱- لوله‌های حاوی محیط‌های کشت و سلول‌های مخمر به مدت ۱۰ دقیقه به منظور جدا کردن مایع رویی در دمای محیط با ۲۵۰۰ دور در دقیقه سانتریفیوژ شدند.
- ۲- مایع‌های رویی با PBS به نسبت‌های ۱/۱۰۰ یا ۱/۲۰۰ رقیق شدند.
- ۳- همچنین پروتئین استاندارد مطابق جدول با PBS رقیق شد (برای تهیه نمودار استاندارد).
- ۴- مرحله Coating، ۵۰µl مایع رویی رقیق شده، استاندارد و بلانک در چاهک‌های پلیت ۹۶ خانه‌ای ریخته شد.
- ۵- پلیت به مدت یک شبانه روز بدون حرکت در ۴ درجه سانتی گراد قرار گرفت.
- ۶- محلول رویی پلیت دور ریخته شد و چاهک‌ها با ۲۰۰µl PBS سه بار شستشو داده شد.
- ۷- با کوبیدن پلیت بر روی چند کاغذ حوله‌ای، PBS خارج شد.
- ۸- مرحله Blocking، ۲۰۰µl از محلول Blocking را به هر چاهک اضافه و به مدت یک ساعت در دمای اتاق شیک گردید.
- ۹- چاهک‌ها سه بار با PBS شستشو داده شدند و سپس با کوبیدن پلیت بر روی کاغذ حوله‌ای PBS خارج شد.
- ۱۰- آنتی بادی باغلاظت ۱/۲۰۰۰ مطابق پروتکل اضافه شد.
- ۱۱- چاهک‌ها با PBS مطابق دستورالعمل سه بار شستشو داده شدند.
- ۱۲- مرحله Development، ۱۰۰µl از محلول TMB به هر چاهک اضافه گردیده به طوری که رنگ همه چاهک‌ها آبی شد و سپس ۱۰۰µl اسید فسفریک ۱M برای توقف این مرحله اضافه و در نتیجه رنگ آبی به زرد تغییر پیدا کرد که در طول موج ۴۵۰nm خوانده شد. از جدول سری‌های استاندارد به منظور رسم منحنی استاندارد برای بررسی میزان پروتئین مشخص شده در روش Elisa استفاده شد.

پرایمر random و پرایمرهای اختصاصی ۵' S-22mer TTG CCT TTG GTC AGT ATC TTC A ۳' و AS-23mer ۵' ACA GAG GTT TTT CAC AGC ATT (CC-3') تکثیر یافت.

آنالیز پروتئین با روش وسترن بلاط

برای تشخیص آلبومین ۱ml از ۱۶۰ میلی لیتر محیط YPD تلقیح شده برداشته و به ۳ میلی لیتر محیط Derepression تلقیح شد و مایع رویی بعد از ۲ شبانه روز انکوباسیون، برروی ژل SDS-PAGE بررسی شد. پروتئین‌ها با استفاده از جریان الکتریسیته از روی ژل به غشا PVDF (Polyvinyl De Fluoride) منتقل شدند. این غشا سپس در بافر بلوکه کننده (۱۰۰mM Tris، ۰/۰/۱ Tween20، pH = ۷/۵) به مدت یک ساعت در دمای اتاق تیمار شد. آنتی بادی‌های متصل شونده در ۶۰ میلی لیتر بافر بلوکه کننده حاوی آنتی بادی خرگوش ضد HSA (۱۲۰µl) فرست اتصال را یافتند. غشا PVDF سهبار با سالین ۰/۸۵ Tween 20 شستشو شد. سپس در بافر حاوی ۵۰mg H₂O₂ (۰/۰/۶ w/v)، ۴ کلورو-۱-نفتل و ۰/۰/۱ H₂O₂ به همراه آب مقطر انکوبه شد تا باندهای پروتئین آلبومین رنگ گرفته و مشخص شوند.

HPLC

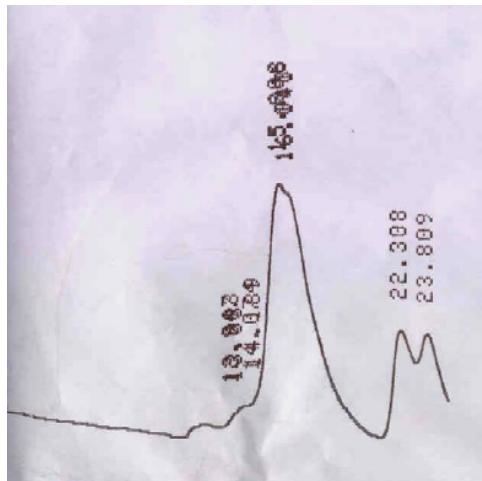
نمونه‌های کشت حاصل از فلاسک در ۷۵۰۰ دور در دقیقه به مدت ۵ دقیقه سانتریفیوژ شدند و خلوص HSA و ساختار مولکولی آن در مایع رویی با آلبومین استاندارد تجاری توسط سیستم کروماتوگرافی HPLC KNAUER شامل UV دتکتور- injector، پمپ، ستون محافظ، رکوردر و ستون اصلی TSK-gel G3000 SW × L (7.8×300mm, Tosoh, Japan) در این سیستم از سرعت جریان ۰/۵ml/min و فشار کمتر از ۵ میلی پاسکال، پس از تزریق ۵ میکرولیتر از

نتایج

به منظور افزایش بیان HSA، پارامترهای موثر در تولید آلبومین در فلاسک مورد مطالعه قرار گرفت. نتایج نشان داد که میزان تولید HSA حاصل از سلول‌هایی که در محیط YNB 1% Glycerol Phosphate buffer رشد کرده‌اند، بیشتر از محصول سلول‌هایی است که در دو محیط کشت دیگر یعنی محیط‌های زیر وجود دارند:

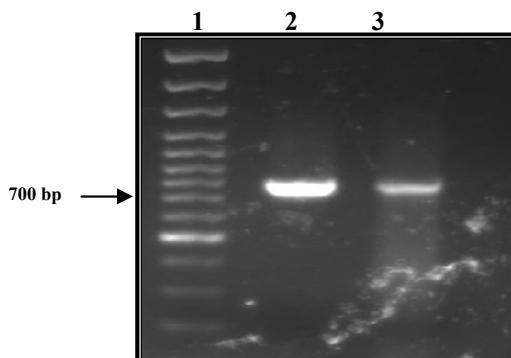
YP 1% Glycerol, YNB 1% Glycerol without buffer

محیط‌های کشت حاوی آنتی پروتئاز با تیتر ۱/۴۰ نسبت به محیط‌های کشت فاقد آنتی پروتئاز، میزان HSA بیشتری را نشان دادند. از میان سه زمان انکوباسیون یعنی ۴۸، ۲۴ و ۷۲ ساعت، بیشترین میزان تولید مربوط به زمان ۴۸ ساعت بود. پس از مشخص شدن بهترین شرایط یعنی استفاده از محیط YNB 1% buffered Glycerol درجه سانتی‌گراد برای ۴۸ ساعت تولید آلبومین در هانسونلاپلی مورفا، میزان تولید HSA به

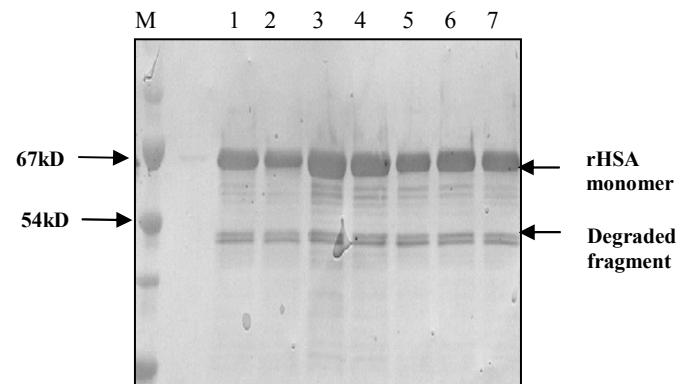


شکل ۱: منحنی به دست آمده مربوط به مخلوطی از پروتئین‌ها از جمله آلبومین می‌باشد که در زمان ۱۵-۱۷ دقیقه خارج شده و پیک دیگر مربوط به پروتئین‌هایی با وزن ملکولی کمتر از آلبومین است که در زمان‌های ۲۲ الی ۲۳ دقیقه ثبت شده است.

مقایسه دیاگرام مربوط به نمونه مورد نظر با نمونه استاندارد (که دارای پیک تیز و زمان خروج ۱۶ دقیقه مربوط به آلبومین خالص است) نشانی از وجود پروتئینی با وزن ملکولی بسیار نزدیک به آلبومین و همچنین پروتئین‌هایی با وزن ملکولی کمتر از آن می‌باشد که احتمالاً این پروتئین‌ها با وزن ملکولی کمتر بر اثر تجزیه



شکل ۲: ۱) مارکر ۱۰۰ bp
۲) cDNA ساخته شده با استفاده از Random primer
۳) cDNA ساخته شده با استفاده از پرایمر اختصاصی



شکل ۳: نتیجه آزمایش وسترن بلات برای مایع رویی محیط‌های کشت سلول‌های مخمر است. نمونه‌های ۱ تا ۷ مایع رویی حاوی HSA می‌باشد.
(M) مارکر ملکولی پروتئین.

شده حاکی از دستیابی به 478mg/l آلبومین بوده است. در مطالعات مشابهی که در کشورهای کره و ژاپن با استفاده از سوش *H.polymorpha* DH1 انجام گردیده نشان داده شده که در مقیاس آزمایشگاهی این تحقیق، به مقدار $20-25\text{mg/l}$ دست یافته‌اند و پس از بهینه‌سازی شرایط و عوامل مؤثر، تولید آلبومین در مقیاس نیمه صنعتی به $1200-1400\text{mg/l}$ افزایش یافته است (۶، ۱۳). مقایسه این نتایج بیانگر آن است که انجام مطالعات دقیق تر و وسیع‌تر در مقیاس نیمه صنعتی می‌تواند در افزایش میزان تولید آلبومین مؤثر باشد.

تشکر و قدردانی

بدینوسیله نویسنندگان مقاله از آقایان دکتر احمد قره‌باغیان و دکتر کامران موسوی حسینی، خانم‌ها سودابه بنازاده، صدیقه چابک‌پی و صدیقه نوروزنیا به خاطر همکاری صمیمانه تشکر می‌نمایند. متذکر می‌شود بودجه این تحقیق توسط سازمان مدیریت و برنامه‌ریزی کشور و مرکز تحقیقات سازمان انتقال خون ایران تأمین گردیده است.

ملکولی آلبومین به وجود آمده اند و باید در مراحل بعدی نسبت به جداسازی آنها اقدام شود (شکل ۴).

بحث

در نتیجه انجام این بررسی، خط تولید آلبومین نوترکیب در مقیاس آزمایشگاهی راه‌اندازی شد و عوامل مؤثر بر افزایش بیان آلبومین و در نتیجه افزایش تولید HSA مورد بررسی قرار گرفت. با استفاده از روش‌های وسترن بلاستینگ و Elisa حداقل میزان آلبومین قابل دسترس در این بررسی 17.6mg/l بود.

نتایج به دست آمده از تحقیق حاضر که در ایران انجام گردید کاملاً مشابه و قابل مقایسه با نتایج بررسی موادی و مشابهی بوده است که با همکاران دیگر در دانشگاه دولسلدروف انجام شد.

علاوه بر مطالعات اولیه که در مقیاس آزمایشگاهی انجام گرفت، سوش و شرایط تولید به دست آمده در این مطالعات در مقیاس نیمه صنعتی با استفاده از فرمانتور در مؤسسه فرانهوفر آلمان مورد بررسی قرار گرفت که نتایج گزارش

منابع

- Mingetti P. P., Ruffner D.E., Kuang W.J., Dennison. E, Hawkin J.W., Beattie W.G., and Dugaiczy K A.:Molecular structure of human albumin gene is revealed by nucleotide sequence with in q11-22 of chromosome 4. *J.Biol.Chem*, 1986, 261: 6747-6757.
- He X.M.and Carter D.C:Atomic structure and chemistry of human serum albumin .*Nature* 1992, 358: 209-215.
- Carter D. C., Chang B., Ho J.X., Keeling K., and Krishnassmi Z.; Preliminary crystallographic studies of four crystal forms of serum albumin. *Eur.J.Biochem*, 1994, 226: 1049-1052.
- Peters T: Serum albumin, In book: Anfinsen, C.B., Edsall, J.T., and Richrds, F M. Advances in protein chemistry, vol.37, Academic PressInc.,San Diego, 1985: 161-254.
- Peters T: Clinical Aspect In Putnam, F.W: All about albumin .Academic Press ,Inc.,San Dieogo, 1996: 251-284.
- Kaora K: High level expression of recombinant Human serum albumin from the methylotrophic yeast *Pichia pastoris* with minimal protease production and Activation. *Journal of Bioscience and Bioengineering*, 2001: 55-61.
- Barr K.A. Hopkins S.A., and Sreekrishna K: Protocol for efficient secretion of HSA developed from *Pichia pastoris*. *Pharmaceutical Engineering*, 1992,12:48-51.
- G.Gellissne, et al: Heterologuse protein production in metylotrophic yeasts, 2000: 195-249.
- Sunders C.W., Schmidt J., Mallonee R.L, and Guyer M.S: Secretion of human serum albumin from *Bacillus subtilis*. *J. Bacteriol*, 1987, 169: 2917-2925.
- Sleep D., Belifield G.P., and Goodey A. R: *Saccharomyce cerevisiae* strains that overexpress hetrologus proteins. *Bio/Technology*, 1991, 9: 183-187.
- Hodhkins M.A., Sudbery P.E., Kerry-Williams S., and Goody.A: Secretion of human serum albumin from *Hansenula polymorpha*.*Yeast*, 1990, 68: 435.
- Fleer R.,Yeh P., Amellal N., Maury I., Fournier A., Baccheta F., Baduel P., Jung G., L'Hote H., Becquart J., Fukuhara H., and Mayaux J.F: Stable multicopy vectors for high-level secretion of recombinant human serum albumin by Kluyveromyces yeasts. *Bio/ Technology*, 1991, 9: 968-975.
- Hyun A. K, and Whankoo K: Development of expression systems for the production of recombinant human serum albumin using the MOX promoter in *Hansenula polymorpha* DL-1.

Expression of recombinant human serum albumin in the methylotrophic yeast; *Hansenula polymorpha*

Abbasi Moheb L.¹, Haghghi M.M.¹, Ghamari A.R.¹, Adibi Motlagh B.², Rezvan H.², Piontek M.³, Hellweg S.³, Pourfathollah A.A.^{2,4}, Kahrizi K.¹, Najmabadi H.¹

¹Welfare and Rehabilitation University-Genetics Research Center

²Iranian Blood Transfusion Organization-Research Center

³Dusseldorf University, Germany

⁴Tarbiat Modarres University, Tehran

Abstract

Background and Objectives

Human serum albumin (HSA) is the major protein component of human plasma. It plays a very important role in transporting of macro molecules and maintaining the normal osmolarity. It is used as a therapeutical protein in patients with hypoalbuminemia and acute bleeding and burning. Albumin consumption in the world is about 500 ton/year. The aim of this research is to study the production of rHSA in shake flask culture by *Hansenula polymorpha*.

Materials and Methods

H. polymorpha was used for the production of recombinant human serum albumin (rHSA) in several of shake flask culturing; expression of rHSA was investigated relating several parameters affecting the expression of HSA. To optimize the secretory expression of rHSA under the control of FMD promoter in *H. polymorpha* RB-11 incubation time, culture media temperature and protease inhibitors were analyzed.

Results

This study not only established production of rHSA in yeast but also analyzed the correlation between affecting parameters and the level of HSA expression. Comparison of the HSA levels in the culture supernatants showed that the highest HSA yield was 17.6mg/l. The research shows that among three different temperatures (25°C, 30°C and 37°C) 37°C was the best temperature and amongst three different incubation times (24h, 48h and 72h) 48h was the optimum time and YNB 1% glycerol with buffer was the best derepression medium in comparison with others.

Conclusions

Using these optimized conditions, stable production of rHSA of around 17.6mg/l was achieved. Our results suggest that affecting expression factors improved in this study are suitable for production of recombinant albumin.

Key words: *Hansenula polymorpha*, Yeast, Human serum albumin, Affecting factors

Correspondence: Abbasi Moheb L., M.S., Genetics Research Center of Welfare and Rehabilitation University
Tel: (+9821) 2402070; Fax: (+9821) 2402070
E-mail: l.abbasi@uswr.ac.ir