



دانشگاه شهید بهشتی

مجله پژوهش‌های تولید گیاهی  
جلد نوزدهم، شماره سوم، ۱۳۹۱  
<http://jopp.gau.ac.ir>

## تلاقي‌پذيری و مقاومت به بیمارگر *Pythium ultimum* در سه گونه مختلف از جنس *Carthamus*

حامد بگ‌محمدی<sup>\*</sup>، محمد‌هادی پهلوانی<sup>۱</sup>، اسدالله احمدی‌خواه<sup>۲</sup> و سید‌اسماعیل رضوی<sup>۳</sup>

<sup>۱</sup>دانش‌آموخته کارشناسی ارشد اصلاح نباتات، عضو هیأت علمی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان

چکیده

شناسایی و انتقال ژنهای مطلوب از خویشاوندان وحشی به گونه‌های زراعی یکی از روش‌های اصلاح گیاهان برای ایجاد مقاومت به بیماری‌ها و آفات بهشمار می‌رود. این مطالعه با هدف بررسی امکان تلاقي‌پذيری و واکنش به *Pythium ultimum* در گلنگ زراعی و دو خویشاوند دیگر آن انجام شد. برای بررسی واکنش به بیمارگر از هشت ژنوتیپ متعلق به گونه زراعی، دو توده از گونه *C. lanatus* وحشی *Carthamus oxyacanthus* از تهران و اصفهان و یک توده از گونه وحشی *P. ultimum* به عنوان فاکتور اصلی در طرح کرت‌های خردشده با ۴ تکرار استفاده شد. برای ایجاد آلدگی، از سوسپانسیون بیمارگر با غلظت نهایی  $10^0$  زئوسپور در هر میلی لیتر استفاده گردید. در صد جوانه‌زنی ژنوتیپ‌های گونه زراعی و گونه لاتتوس در محیط استریل بیش از ۹۰ درصد بود، اما در محیط آلدود فقط ژنوتیپ‌های گونه زراعی توانستند همین مقدار جوانه‌زنی داشته باشند. تلاقي گونه‌ها با یکدیگر نشان داد که موفقیت در تولید بذر دورگ بارور، بستگی زیادی به انتخاب نوع پایه مادری دارد. در تلاقي گونه زراعی با اکسیاکانتوس، هنگامی که گونه زراعی به عنوان والد مادری بود، بذر دورگ بیشتری تولید شد. بذور حاصل از تلاقي دو گونه اکسیاکانتوس و زراعی، بارور و دارای قابلیت جوانه‌زنی بودند، اما بذور حاصل از تلاقي لاتتوس با گلنگ زراعی کاملاً عقیم بودند. مقاومت گونه

\*مسئول مکاتبه: [hpahlavani@yahoo.com](mailto:hpahlavani@yahoo.com)

اکسیاکانتوس به بیمارگ پیتیوم و موفقیت در تولید بذر دورگ، توانایی این گونه را برای انتقال ژن‌های مقاومت و همچنین سایر صفات مطلوب به گلنگ زراعی نشان داد.

**واژه‌های کلیدی:** هیبریداسیون بین‌گونه‌ای، خویشاوند وحشی، زئوسپور، بذر

#### مقدمه

گلنگ زراعی با نام علمی *Carthamus tinctorius* L.، بهدلیل سازگاری و تحمل نسبت به شرایط نامساعد محیطی نظری شوری و خشکی، به عنوان یکی از مناسب‌ترین محصولات دانه روغنی برای اقلیم‌های خشک و نیمه خشک در مناطق مختلف جهان از جمله ایران معرفی شده است. منشاء این گیاه، مناطق آسیای جنوب غربی، نواحی مدیترانه و ایران است (زینلی، ۱۹۹۹). هدف از کشت گلنگ، استحصال گله‌چه برای مصارف غذایی و دارویی و استخراج روغن موجود در دانه‌های آن برای مقاصد خوارکی و صنعتی می‌باشد (دوی و همکاران، ۱۹۸۲). دانه گلنگ دارای ۲۵ تا ۴۵ درصد روغن و ۱۲ تا ۲۴ درصد پروتئین می‌باشد (زینلی، ۱۹۹۹).

عوامل بیماری‌زای خاکزی، مهم‌ترین عامل محدودکننده تولید گلنگ در مناطق مختلف جهان گزارش شده‌اند. پوسیدگی بذر و مرگ گیاهچه ناشی از *Pythium ultimum*، یکی از بیماری‌های مهم گلنگ و سایر گیاهان زراعی در ایران و سایر نقاط دنیا می‌باشد (دیتريج و همکاران، ۱۹۷۹؛ هوانگ و همکاران، ۱۹۹۲؛ ماندل و همکاران، ۱۹۹۵). این بیمارگ بذور و گیاهچه‌های جوان گلنگ را مورد هجوم قرار داده و موجب پوسیدگی بافت و مرگ آن‌ها می‌شود (صدریوی، ۲۰۰۴). علایم و خسارت این بیمارگ روی گلنگ، اولین بار سال ۱۹۷۷ توسط ارشاد (۱۹۹۶) در شهرستان ورامین گزارش شده است. خسارت این بیمارگ بسیار قابل توجه و در محیط آلوده تا بیش از ۹۰ درصد گزارش شده است (محمد و همکاران، ۲۰۱۰؛ پهلوانی و همکاران، ۲۰۱۰). ایجاد ارقام مقاوم به بیمارگ پیتیوم، بهدلیل کاهش خطرات زیست محیطی استفاده از سوم شیمیایی به یکی از اهداف مهم اصلاح گلنگ تبدیل شده است. اولین مرحله در اصلاح نباتات، ارزیابی تنوع ژنتیکی موجود برای صفت مورد بررسی در بین ارقام زراعی و ژرم‌پلاسم موجود در مراکز تحقیقاتی و یا بانک‌های ژن ملی و بین‌المللی می‌باشد. پس از گزارش اهمیت بیماری مرگ گیاهچه در گلنگ، مطالعات مختلفی به منظور یافتن منابع ژنتیکی مقاومت و همچنین شناسایی نحوه کترل ژنتیکی این بیمارگ انجام شد، اما علی‌رغم وجود گزارشاتی

در این زمینه، ژنتیک(های) دارای مقاومت به این بیمارگر یافت نشده است (احمدی و همکاران، ۲۰۰۸؛ پهلوانی و همکاران، ۲۰۰۹؛ پهلوانی و همکاران، ۲۰۱۰). از مهمترین روش‌های اصلاح گلنگ به بیمارگرهای خاکزی می‌توان به انتخاب تک بوته و لاین در نسل‌های در حال تفکیک، انتخاب توده‌ای و تولید ارقام هیربرید اشاره کرد. در مطالعه توارث مقاومت به *Pythium ultimum* در گلنگ به‌وسیله تجزیه میانگین نسل‌ها، معلوم شده است که مقاومت به پیتیوم در گلنگ به صورت کمی و توسط ژن‌های زیادی کنترل می‌شود و اثرات محیطی در کنترل بیماری نقش قابل توجهی دارند. هر دو اثرات ژنتیکی افزایشی و غالبیت در توارث مقاومت به بیمارگر پیتیوم نقش دارند و با توجه به نقش معنی‌دار اثرات ژنتیکی افزایشی، انتخاب را برای پیشرفت سریع مقاومت به پیتیوم در گلنگ مناسب دانستند ( قادری و همکاران، ۲۰۱۱). در مواردی که تنوع ژنتیکی کافی در منابع معمول موجود نباشد، اصلاح‌گران استفاده از سایر منابع تنوع نظری جهش و هیریداسیون بین‌گونه‌ای را پیشنهاد می‌کنند. استفاده از ژن‌های مقاومت به بیماری‌ها و آفات موجود در سایر گونه‌های خویشاوند جنس *Carthamus* و همچنین امکان انتقال این ژن‌ها به گونه زراعی با روش‌های هیریداسیون و تلاقي بین‌گونه‌ای به عنوان راهکاری برای برطرف نمودن محدودیت‌های فوق مورد توجه اصلاح‌گران گلنگ قرار گرفته است (هیتون و کلیسویچ، ۱۹۸۱؛ سبزعلیان و همکاران، ۲۰۱۰).

از بین ۱۸ گونه متعلق به جنس *Carthamus*؛ تنها گونه *C. tinctorius* زراعی بوده و کشت و کار آن در مناطق مختلف جهان رایج است (ویلاترسانا و همکاران، ۲۰۰۰ و ۲۰۰۵). علاوه بر توده‌های گونه زراعی، چندین گونه غیرزراعی از این جنس در ایران نیز یافت می‌شود، که دو گونه ایران یافت می‌شوند ( دیتریچ و همکاران، ۱۹۷۹؛ سبزعلیان و همکاران، ۲۰۰۸؛ ویلاترسانا و همکاران، ۲۰۰۰؛ زینلی، ۱۹۹۹). مطالعات نشان داده است که این گونه‌های وحشی خویشاوند، منبع با ارزشی از ژن‌های مفید هستند. تاکنون وجود منابع مقاومت نسبت به مگس گلنگ و مقاومت به خشکی در گونه اکسیاکانتوس و مقاومت به بیماری‌های خاکزی نظیر فوزاریوم و ورتیسیلیوم و مقاومت به سرما در گونه لاناتوس گزارش شده است (هیتون و کلیسویچ، ۱۹۸۱؛ مجیدی و همکاران، ۲۰۱۱؛ سبزعلیان و همکاران، ۲۰۱۰). از دو گونه یادشده به عنوان نزدیکترین خویشاوندان گلنگ زراعی نیز یاد شده است، به طوری که چاوان (۱۹۶۱) اظهار کرده است که گونه زراعی از دو گونه اکسیاکانتوس و لاناتوس منشأ گرفته است (ماندل و برگمن، ۲۰۰۹). با این وجود در مطالعاتی که اخیراً صورت گرفته است،

گونه *C. palestinus* به عنوان نزدیکترین خویشاوند گلرنگ زراعی معرفی شده است (احمدی و همکاران، ۲۰۰۸؛ سگال و همکاران، ۲۰۰۹). علاوه بر این، حاصل تلاقی بین گونه زراعی با گونه اکسیاکانتوس به نتایج بارور؛ اما تلاقی لاناتوس و گونه زراعی به نتایج عقیم متنج شده است (مایرهوفر و همکاران، ۲۰۱۱). اگرچه هیتون و کلسبیویث (۱۹۸۱) به کمک تکنیک نجات جنبین و دو برابر کردن کروموزومی و ایجاد دورگ آلوپلوبیتید بین دو گونه، موانع انتقال ژن بین دو گونه فوق را برطرف نموده‌اند.

بهدلیل عدم دسترسی به منابع ژنتیکی دارای مقاومت قابل قبول نسبت به بیمارگر *Pythium ultimum* در گلرنگ زراعی، ارزیابی واکنش سایر گونه‌های غیرزراعی و خویشاوند موجود در جنس کارتاموس در مقابل این بیمارگر ضروری به نظر می‌رسد. بنابراین مطالعه حاضر با اهداف ارزیابی واکنش گونه‌های *Pythium C. lanatus*, *C. oxyacanthus* و *C. tinctorius* نسبت به بیمارگر *ultimum* و بررسی تلاقی‌پذیری و امکان تولید هیبرید بین گونه‌ای آن‌ها صورت گرفت.

## مواد و روش‌ها

**مکان آزمایش:** در این مطالعه تلاقی‌پذیری و واکنش به بیمارگر *Pythium ultimum* در سه گونه از جنس کارتاموس در سال ۱۳۸۹ در مزرعه آموزشی-پژوهشی و آزمایشگاه اصلاح نباتات واقع در دانشکده تولید گیاهی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان به صورت کرت‌های خرد شده با ۴ تکرار صورت گرفت. فاکتور اصلی شامل محیط جوانه‌زنی با دو سطح (آلوده و استریل) و فاکتور فرعی شامل ژنوتیپ با یازده سطح بود (جدول ۱).

**مواد گیاهی:** در این مطالعه از یازده ژنوتیپ متعلق به سه گونه مختلف جنس کارتاموس استفاده گردید. این مواد شامل هشت ژنوتیپ خالص از گونه زراعی (*Carthamus tinctorius*), دو توده از گونه وحشی اکسیاکانتوس (*C. Oxyacanthus*) و یک توده از گونه وحشی لاناتوس (*C. lanatus*) بودند (جدول ۱). گونه‌های وحشی مورد مطالعه به صورت توده‌های بذری از طبیعت جمع‌آوری، و به مدت یک سال در مزرعه آموزشی و پژوهشی شماره یک دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان کشت و برداشت شده بودند.

جدول ۱- نام، گونه و منشأ مواد گیاهی به کار گرفته شده در این مطالعه.

منشأ	گونه	
ایران	<i>C. tinctorius</i>	۲۸۱۱-اراک
ایران	<i>C. tinctorius</i>	LRV-۵۱-۵۱
کانادا	<i>C. tinctorius</i>	Aceteria
نامعلوم	<i>C. tinctorius</i>	۵۴۱-۵
نامعلوم	<i>C. tinctorius</i>	۳۴۰۷۴
نامعلوم	<i>C. tinctorius</i>	۳۴۰۴۰
کانادا	<i>C. tinctorius</i>	PI-۵۰۵۳۷
نامعلوم	<i>C. tinctorius</i>	Dinger
اصفهان (ایران)	<i>C. oxyacanthus</i>	توده وحشی اصفهان
تهران (ایران)	<i>C. oxyacanthus</i>	توده وحشی تهران
گلستان (ایران)	<i>C. lanatus</i>	توده وحشی لاناتوس

ارزیابی واکنش به بیمارگر *Pythium ultimum* بستر جوانهزنی در این آزمایش حوله کاغذی با ابعاد  $50 \times 50$  سانتی‌متر مربع بود. در هر واحد آزمایشی ۱۰۰ عدد بذر از هر ژنتوتیپ پس از ضدغونی سطحی با هیپوکلرایت سدیم ۲ درصد به مدت ۳ دقیقه، با فواصل معین در دو ردیف ۵۰ تایی روی حوله کاغذی قرار داده شدند. سپس یک حوله کاغذی دیگر روی بذرها قرار گرفت و سپس حوله‌ها و بذرها پیچیده شدند. در محیط استریل از آب مقطر و در محیط آلوده از سوسپانسیون قارچ با غلظت ۱۰ زئوسپور در هر میلی لیتر استفاده شد. برای تهیه سوسپانسیون زئوسپور، قطعات مربعی محیط‌های کشت محتوی پرگنهای خالص ۴ روزه پیتیوم داخل بشرهای دارای آب مقطر استریل ریخته شد و در شرایط تاریکی با دمای ۲۰ درجه سانتی‌گراد به مدت ۷۲ ساعت قرار گرفت. سپس بشر به مدت ۱۰ دقیقه در دمای ۵ درجه سانتی‌گراد و ۲ ساعت در دمای اتاق قرار داده شد. پس از مشاهده زئوسپور روی اسلاید، غلظت زئوسپور با لام هموسایتومتر (گلبول شمار) شمارش و سوسپانسیون با غلظت نهایی ۱۰ زئوسپور در هر میلی لیتر تهیه شد. سپس حوله‌های کاغذی محتوی بذر در انکوباتور با دمای ۲۵±۱ درجه سانتی‌گراد قرار داده شدند. شمارش بذور جوانه‌زده (خروج ریشه‌چه به اندازه ۲ میلی‌متر) به صورت روزانه یکبار به مدت ۷ روز متوالی برای تمامی واحدهای آزمایشی انجام شد. تعداد گیاهچه‌های بیمار (دارای علایم پوسیدگی، لهیدگی یا تغییر رنگ به قهوه‌ای) در واحدهای آزمایشی

محیط آلوهه به بیمارگر تا ۱۴ روز به طور روزانه شمارش شد. برای رفع خواب در گونه لاتتوس از تیمار حرارت دهی خشک در آون به مدت ۷ ساعت در دمای ۶۳ درجه سانتی گراد استفاده شد.

**صفات اندازه گیری شده و نحوه محاسبه شاخص ها:** در محیط استریل درصد و سرعت جوانه زنی بذور و در محیط آلوهه به بیمارگر درصد و سرعت جوانه زنی بذر، درصد و سرعت مرگ گیاهچه ها و شاخص مقاومت اندازه گیری شدند. درصد جوانه زنی از رابطه زیر بدست آمد.

$$GP = \sum n_i / N \quad (رابطه ۱)$$

که در آن  $GP$ : درصد جوانه زنی،  $n_i$  تعداد بذر های جوانه زده در هر روز و  $N$  تعداد کل بذور یک واحد آزمایشی است. برای محاسبه سرعت جوانه زنی از رابطه زیر استفاده شد ( قادری فر و سلطانی، ۲۰۱۱).

$$GR = (\sum n_i) / (\sum (n_i \times t_i)) \quad (رابطه ۲)$$

که در آن  $GR$ : سرعت جوانه زنی،  $n_i$  تعداد بذر های جوانه زده در هر روز و  $t_i$  تعداد روز از شروع آزمایش جوانه زنی است.

درصد و سرعت مرگ و میر در محیط آلوهه با استفاده داده های مرگ و میر روزانه گیاهچه ها در محیط آلوهه به بیمارگر و با استفاده از رابطه های بالا محاسبه شدند.

برای محاسبه شاخص مقاومت<sup>۱</sup> به بیماری نیز از رابطه فیشر و مایورر (۱۹۷۸) استفاده گردید که رابطه آن در زیر آمده است.

$$RI = [1 - ((SES - SEI) / SES)] \times 100 \quad (رابطه ۳)$$

که در آن  $RI$  شاخص مقاومت،  $SES$  درصد جوانه زنی در محیط استریل و  $SEI$  درصد جوانه زنی در محیط آلوهه به بیمارگر است. به طور کلی ژنتیک های دارای  $RI$  بالاتر از مقاومت بالاتری نسبت به بیمارگر برخوردارند.

برای تجزیه واریانس داده ها از رویه  $GLM$  در محیط نرم افزار  $SAS$  استفاده شد ( SAS، ۱۹۹۶). بررسی نرمال بودن داده ها نشان داد که به تبدیل داده ها نیازی نمی باشد، بنابراین از داده های خام برای این تجزیه ها استفاده شد. با توجه به ماهیت آزمایش و امکان گروه بندی تیمارها، مقایسه گروهی مختلف انجام شد ( یزدی صمدی و همکاران، ۱۹۹۸). برای مقایسه میانگین از آزمون کمترین اختلاف

معنی دار استفاده شد (سلطانی، ۲۰۰۷). در مواردی که اثرات متقابل معنی دار شدند، سطوح مختلف فاکتور فرعی در هر سطح فاکتور اصلی مقایسه شدند.

**بررسی تلاقی‌پذیری گونه‌ها:** برای بررسی تلاقی‌پذیری بین گونه‌ای، از ژنتیپ ۳۴۰۷۴ به عنوان نماینده گونه زراعی استفاده شد. بذور ژنتیپ ۳۴۰۷۴، دو توده تهران و اصفهان از گونه *C. oxyacanthus* و توده گلستان از گونه *C. lanatus* در اسفند ماه سال ۱۳۸۹ روی ۵ خط ۶ متری در مزرعه آموزشی و پژوهشی شماره یک دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان کشت شدند. پس از شروع گل‌دهی، عملیات اخته‌کردن و آماده کردن پایه مادری و روز بعد از آن، گردەافشانی با استفاده از گردەهای والد مورد نظر صورت پذیرفت (ناولز، ۱۹۸۰). پس از انجام تلاقی‌ها، در هر تلاقی تعداد طبق تلاقی داده شده، تعداد گلچه تلاقی داده شده، تعداد کل بذر به دست آمده، میانگین درصد تولید بذر و در نهایت درصد جوانه‌زنی بذور دورگ ( فقط برای بذر دورگ حاصل از تلاقی‌های گونه زراعی و گونه اکسیاکانتوس) محاسبه شد. برای بررسی درصد جوانه‌زنی بذور به دست آمده از تلاقی از ۳ تکرار شامل ۲۵ عدد بذر هیبرید بین گونه‌ای در هر واحد آزمایشی استفاده شد.

## نتایج و بحث

درصد و سرعت جوانه‌زنی بذر گونه‌های جنس کارتاموس: نتایج تجزیه واریانس نشان داد که درصد جوانه‌زنی بذور در دو محیط آلوده و استریل اختلاف معنی داری داشت، اما این اختلاف برای سرعت جوانه‌زنی معنی دار نبود (جدول ۲). تفاوت معنی دار دو محیط از نظر درصد جوانه‌زنی نشان‌دهنده تأثیر بیمارگر بر درصد جوانه‌زنی بذور می‌باشد. تأثیر معنی دار بیمارگر *P. ultimum* بر درصد جوانه‌زنی بذور گلنگ زراعی توسط ماندل و همکاران (۱۹۹۵) نیز گزارش شده است.

میانگین مربعات ژنتیپ، اثر متقابل ژنتیپ × محیط و مقایسات گروهی ژنتیپ‌های زراعی در مقابل توده‌های وحشی برای درصد و سرعت جوانه‌زنی نیز معنی دار بود (جدول ۲). از آنجایی که منبع تغییر ژنتیپ شامل ژنتیپ‌های زراعی و چندین توده وحشی از گونه‌های مختلف است، بنابراین تفاوت بین ژنتیپ‌ها نشانه وجود تنوع ژنتیکی موجود در جنس گلنگ برای این صفات است که می‌تواند در برنامه‌های اصلاحی مورد استفاده قرار گیرد..

جدول ۲- تجزیه واریانس برای درصد و سرعت جوانهزنی بذور گونه‌های مختلف جنس کارتاموس در دو محیط استریل و آلوده به بیمارگر *P. ultimum*

متابع تغییرات	درجه آزادی	سرعت جوانهزنی	میانگین مربعات
محیط	۱	۴۱۸/۹۰۹**	۰/۰۱۲ <sup>ns</sup>
خطای ۱	۶	۲۶/۸۴۸	۰/۰۰۴
ژنوتیپ	۱۰	۱۷۳۶/۷۴۵**	۰/۳۰۸**
ژنوتیپ‌های زراعی در مقابل توده‌های وحشی	۱	۱۰۷۶/۱۲۱**	۲/۸۵۱**
توده‌های اکسیاکانتوس در مقابل توده لاناتوس	۱	۵۸۳۰/۰۲۱**	۰/۰۵۲**
توده‌های اکسیاکانتوس اصفهان و تهران در مقابل هم	۱	۶۱۲/۵۶۲**	۰/۰۱۱**
ژنوتیپ × محیط	۱۰	۴۴/۲۵۹**	۰/۰۰۴**
خطای ۲	۶۰	۹/۸۵۷	۰/۰۰۱
CV خطأ (%)	-	۳/۵۸	۳/۸۰

ns، \* و \*\* به ترتیب فاقد اختلاف معنی دار، معنی دار در سطح ۵ و ۱ درصد.

معنی دار شدن اثر متقابل ژنوتیپ × محیط نشان‌دهنده تغییر رتبه‌بندی ژنوتیپ‌ها در دو محیط استریل و آلوده به بیمارگر از نظر درصد و سرعت جوانهزنی بذر می‌باشد. پهلوانی و همکاران (۲۰۰۹) نیز در با بررسی جوانهزنی بذور گلرنگ زراعی نشان دادند که اثر متقابل ژنوتیپ × محیط برای درصد و سرعت جوانهزنی بذر معنی دار بود. معنی دار بودن مقایسه ژنوتیپ‌های زراعی در مقابل توده‌های وحشی از نظر درصد و سرعت جوانهزنی بیان‌گر وجود تفاوت بین گونه‌ای از نظر این صفات می‌باشد (جدول ۲). همان‌گونه که در جدول ۳ مشاهده می‌گردد، درصد و سرعت جوانهزنی توده‌های وحشی دو گونه لاناتوس و اکسیاکانتوس نسبت به ژنوتیپ‌های زراعی کمتر بود. نکته جالب توجه دیگر آن بود که دو گونه غیر زراعی همان‌گونه لاناتوس و اکسیاکانتوس نیز از نظر درصد و سرعت جوانهزنی بذور تفاوت معنی داری داشتند (جدول ۲). نتایج مقایسات گروهی همچنین نشان داد که درصد و سرعت جوانهزنی بذور دو توده اصفهان و تهران از گونه اکسیاکانتوس نیز با یکدیگر تفاوت معنی داری داشتند (جدول ۲).

با توجه به معنی دار شدن اثر متقابل ژنوتیپ در محیط، مقایسه میانگین ژنوتیپ‌ها در دو محیط آلوده و استریل به صورت جداگانه انجام شد (جدول ۳). در محیط استریل ژنوتیپ‌های Dinger و

۳۴۰۷۴ هر دو از گونه زراعی با ۹۸/۰ و توده اکسیاکانتوس تهران با ۵۳/۵ درصد، بهترتب دارای بیشترین و کمترین درصد جوانه‌زنی بودند (جدول ۳). به غیر از ژنوتیپ ۳۴۰۴۰، سایر ژنوتیپ‌های گونه زراعی تفاوت معنی‌داری با یکدیگر نداشتند و دامنه تغییر درصد جوانه‌زنی بین آن‌ها تنها ۴ درصد بود. تفاوت میانگین دو توده تهران (۵۳/۵ درصد) و اصفهان (۷۷/۰ درصد) از گونه اکسیاکانتوس معنی‌دار بود (جدول ۳). درصد جوانه‌زنی توده لاتتوس در محیط استریل ۹۳/۲۵ درصد بود و با ژنوتیپ‌های زراعی تفاوت محسوسی نداشت (جدول ۳).

جدول ۳- مقایسه میانگین ژنوتیپ‌های گونه‌های جنس کارتاموس در دو محیط استریل و آلوده به *P. ultimum* با آزمون LSD

ژنوتیپ	محیط استریل				محیط آلوده
	درصد جوانه‌زنی	سرعت جوانه‌زنی	درصد جوانه‌زنی	سرعت جوانه‌زنی	
PI-250537	۹۶/۷۵ <sup>ab</sup>	۰/۹۵ <sup>ab</sup>	۹۳ <sup>a</sup>	۰/۹۳ <sup>a</sup>	۰/۹۳ <sup>a</sup>
۵۴۱-۵	۹۴ <sup>abc</sup>	۰/۸۲ <sup>d</sup>	۹۰/۲۵ <sup>a</sup>	۰/۷۵ <sup>d</sup>	۰/۷۵ <sup>d</sup>
زراعی	۹۴ <sup>abc</sup>	۰/۹۵ <sup>ab</sup>	۹۴/۲۵ <sup>a</sup>	۰/۹۲ <sup>ab</sup>	۰/۹۲ <sup>ab</sup>
Dinger	۹۸ <sup>a</sup>	۰/۹۲ <sup>bc</sup>	۹۵/۲۵ <sup>a</sup>	۰/۸۴ <sup>c</sup>	۰/۸۴ <sup>c</sup>
LRV-5151	۹۷ <sup>ab</sup>	۰/۹۷ <sup>a</sup>	۹۵ <sup>a</sup>	۰/۹۱ <sup>ab</sup>	۰/۹۱ <sup>ab</sup>
۲۸۱۱	۹۶/۷۵ <sup>ab</sup>	۰/۹۱ <sup>c</sup>	۹۰/۵ <sup>a</sup>	۰/۸۹ <sup>abc</sup>	۰/۸۹ <sup>abc</sup>
۳۴۰۷۴	۹۸ <sup>a</sup>	۰/۹۵ <sup>a</sup>	۹۴/۲۵ <sup>a</sup>	۰/۹۱ <sup>ab</sup>	۰/۹۱ <sup>ab</sup>
۳۴۰۴۰	۹۰/۷۵ <sup>c</sup>	۰/۸۳ <sup>d</sup>	۹۴/۲۵ <sup>a</sup>	۰/۸۷ <sup>bc</sup>	۰/۸۷ <sup>bc</sup>
اکسیاکانتوس تهران	۵۳/۵ <sup>e</sup>	۰/۴ <sup>f</sup>	۴۱/۷۵ <sup>d</sup>	۰/۴۵ <sup>f</sup>	۰/۴۵ <sup>f</sup>
اکسیاکانتوس اصفهان	۷۷ <sup>d</sup>	۰/۵۴ <sup>e</sup>	۷۲ <sup>c</sup>	۰/۵۶ <sup>e</sup>	۰/۵۶ <sup>e</sup>
لاتتوس	۹۳/۲۵ <sup>bc</sup>	۰/۵۲ <sup>e</sup>	۸۵/۵ <sup>b</sup>	۰/۴۷ <sup>f</sup>	۰/۴۷ <sup>f</sup>
میانگین	۸۹/۹۱	۰/۸۰	۸۵/۵۵	۰/۷۷	۰/۷۷

ژنوتیپ‌های دارای حرف مشترک در سطح احتمال ۵ درصد اختلاف معنی‌داری با هم ندارند.

در محیط آلوده به *P. ultimum* بیشترین و کمترین درصد جوانه‌زنی بذور بهترتب با ۹۵/۲۵ و ۴۱/۷۵ درصد متعلق به ژنوتیپ Dinger و توده اکسیاکانتوس تهران بود (جدول ۳). مقایسه میانگین درصد جوانه‌زنی در هر دو محیط استریل و آلوده نشان می‌دهد که آلودگی موجب کاهش

درصدی در جوانهزنی ژنوتیپ‌ها شده است و با توجه به اینکه این کاهش ناشی از عدم جوانهزنی و پوسیدگی بذور است می‌توان بیان نمود که بیمارگر *P. ultimum* به طور متوسط موجب ۴/۳۶ درصد پوسیدگی بذر شده است (جدول ۳). جوانهزنی تمامی ژنوتیپ‌ها به استثنای ۳۴۰۴ و *Aceteria* در محیط آلوده کمتر از محیط استریل بود که تأیید کننده تأثیر بیمارگر از طریق ایجاد پوسیدگی بذر قبل از جوانهزنی می‌باشد. بالا بودن درصد جوانهزنی دو ژنوتیپ مزبور در محیط آلوده نسبت به محیط استریل را می‌توان یکی از دلایل مشاهده اثر متقابل ژنوتیپ×محیط دانست (جدول ۳). در مطالعه تجزیه ژنتیکی مقاومت به پیتیوم در گلرنگ توسط قادری و همکاران (۲۰۱۱) درصد جوانهزنی یکی از چهار ژنوتیپ مورد استفاده در محیط آلوده به قارچ بیشتر از محیط استریل بود که با نتایج حاضر مطابقت دارد. علت این امر را می‌توان ناشی از تحریکات عامل بیماری‌زا و واکنش میزان در جهت فرار از شرایط آلودگی بیان نمود. بیشترین کاهش درصد جوانهزنی در محیط آلوده نسبت به محیط استریل ۱۱/۷۵ (درصد) در توده اکسیاکانتوس تهران مشاهده شد. این درحالیست که متوسط افت درصد جوانهزنی برای توده اکسیاکانتوس اصفهان در محیط آلوده نسبت به محیط استریل ۵ درصد بود (جدول ۳).

از لحاظ سرعت جوانهزنی در محیط استریل ژنوتیپ‌ها و توده‌های مورد مطالعه در ۵ گروه مختلف قرار گرفتند. بیشترین سرعت جوانهزنی با ۹۷ و ۹۵ درصد به ترتیب متعلق به ژنوتیپ‌های LRV-5151 و ۳۴۰۷۴، و کمترین آن با ۴۱ درصد مربوط به توده اکسیاکانتوس تهران بود (جدول ۳). سرعت جوانهزنی معیاری از قدرت بذر می‌باشد، و هرچه بالاتر باشد آن ژنوتیپ از سرعت بالاتری برای استقرار در بستر کشت برخوردار است (قادری‌فر و سلطانی، ۲۰۱۱). از این‌رو و با توجه به پایین بودن درصد و سرعت جوانهزنی توده اکسیاکانتوس تهران، می‌توان گفت که قدرت بذر در این توده پایین است. اگرچه تفاوت توده‌های اکسیاکانتوس اصفهان و لاتتوس از لحاظ درصد جوانهزنی معنی‌دار بود، اما از لحاظ سرعت جوانهزنی اختلافی بین آن دو وجود نداشت (جدول ۳).

دامنه تغییرات سرعت جوانهزنی ژنوتیپ‌ها در محیط آلوده به بیمارگر ۴۸ درصد بود که ژنوتیپ PI-250537 با ۹۳ درصد بیشترین و توده اکسیاکانتوس تهران با ۴۵ درصد کمترین سرعت جوانهزنی را داشتند (جدول ۳). سرعت جوانهزنی توده اکسیاکانتوس اصفهان در محیط آلوده بیشتر از محیط استریل بود (جدول ۳). سرعت جوانهزنی به عنوان یکی از واکنش‌های دفاعی بذور گلرنگ در برابر بیمارگر پیتیوم گزارش شده است، به طوری که هر چه سرعت جوانهزنی بالاتر باشد زئوسپور قارچ

زمان کافی برای ایجاد پوسیدگی نداشته و در نتیجه درصد مرگ گیاهچه و پوسیدگی بذور کاهش می‌یابد (احمدی و همکاران، ۲۰۰۸). بنابراین ژنتیپ زراعی ۳۴۰۴۰ و توده اکسیاکانتوس اصفهان از لحاظ این صفت وضعیت مناسب‌تری داشتند.

جدول ۴- تجزیه واریانس برای مرگ و میر و شاخص مقاومت گونه‌های مختلف جنس کارتابوس در محیط آلوده به

#### *P. ultimum* بیمارگر

مقاومن	شاخص	میانگین مربعات		آزادی در درجات حرارت	منابع تغییرات
		سرعت مرگ و میر	درصد مرگ و میر		
۱۸۴/۳۵۵**	۰/۰۰۱**	۷۷۲/۶۱**	۱۰		ژنتیپ
۱۱۳۰/۴۶۸**	۰/۰۰۴**	۲۱۵۵/۵۱**	۱		زراعی در مقابل وحشی
۳۲۵/۵۸۲**	۰/۰۰۰۴ns	۲۹۷/۶۳ns	۱		اکسیاکانتوس در مقابل لاناتوس
۱۰۵/۵۵۶ns	۰/۰۰۰۹*	۱۳۲۲/۸۴**	۱	اکسیاکانتوس اصفهان در مقابل اکسیاکانتوس تهران	
۱۲۴۹/۶۸۵**	۰/۰۰۰۷ns	۲۶۷/۶۳ns	۱	زراعی در مقابل لاناتوس	
۳۷۹/۲۶۴**	۰/۰۰۴۴**	۲۳۶۸/۴۸**	۱	زراعی در مقابل اکسیاکانتوس	
۵۸/۷۷۱ns	۰/۰۰۴۸**	۳۶۶۲/۸۷**	۱	زراعی در مقابل اکسیاکانتوس اصفهان	
۴۵۷/۴۶۱**	۰/۰۰۰۸ns	۱۴۴/۶۵ns	۱	زراعی در مقابل اکسیاکانتوس تهران	
۳۴/۴۲۵	۰/۰۰۰۲	۹۹/۴۵۴	۳۳		خطا (%)
۷/۲۰	۴/۷۱	۱۵/۸۷	-	CV	

ns، \* و \*\* به ترتیب فاقد اختلاف معنی‌دار، معنی‌دار در سطح ۵ و ۱ درصد.

مرگ و میر گیاهچه در محیط آلوده به بیمارگر *P. ultimum* و شاخص مقاومت ژنتیپ‌ها: در محیط آلوده به بیمارگر درصد و سرعت مرگ و میر گیاهچه و شاخص مقاومت به بیماری محاسبه و در قالب طرح کاملاً تصادفی با ۱۱ ژنتیپ شامل ۸ ژنتیپ از گونه زراعی، ۲ توده از گونه اکسیاکانتوس و ۱ توده از گونه لاناتوس تجزیه شد (جدول ۴). اثر ژنتیپ برای درصد و سرعت مرگ و میر گیاهچه و شاخص مقاومت در محیط آلوده در سطح احتمال ۱ درصد معنی‌دار بود (جدول ۴). معنی‌دار شدن میانگین مربعات درصد مرگ و میر گیاهچه بین ژنتیپ‌ها نشان دهنده تفاوت در میزان مقاومت ژنتیکی بین ژنتیپ‌ها و توده‌های مورد استفاده در برابر بیمارگر است. مقایسه گروهی

ژنوتیپ‌ها به منظور ارزیابی مقایسه دقیق و کاربردی‌تر آنها در هفت حالت بین ژنوتیپ‌های وحشی و زراعی صورت گرفت، که تفاوت بین دو توده از گونه اکسیاکانتوس با یکدیگر و تفاوت توده اکسیاکانتوس با گونه زراعی معنی‌دار بودند (جدول ۴). اهمیت این مقایسات در این است که گونه‌های وحشی خویشاوند یکی از منابع مهم ژن‌های مقاومت به بیماری‌ها و آفات برای انتقال به گونه‌های زراعی محسوب می‌شوند بنابراین وجود این تنوع اولین گام در یافتن منبع ژن‌های مطلوب است.

جدول ۵- جدول مقایسه میانگین مرگ‌ومیر و شاخص مقاومت گونه‌های مختلف جنس کارتاموس در محیط آلوده به بیمارگر *P. ultimum* با آزمون LSD

ژنوتیپ	بیمارگر <i>P. ultimum</i>	درصد مرگ‌ومیر گیاهچه	سرعت مرگ‌ومیر گیاهچه	شاخص مقاومت
PI-250537		۸۰/۱۵ <sup>abc</sup>	۰/۳۲ <sup>abc</sup>	۹۶/۱۷ <sup>ab</sup>
۵۴۱-۵		۹۳/۳۹ <sup>a</sup>	۰/۳۴ <sup>a</sup>	۹۶/۰۲ <sup>ab</sup>
Aceteria		۶۷/۱۷ <sup>dc</sup>	۰/۳۱ <sup>bc</sup>	۱۰۰/۳۲ <sup>ab</sup>
Dinger		۶۳/۰۲ <sup>d</sup>	۰/۳۰ <sup>de</sup>	۹۷/۱۲ <sup>ab</sup>
زراعی		۶۱/۵۰ <sup>d</sup>	۰/۳۰ <sup>de</sup>	۹۷/۹۹ <sup>ab</sup>
LRV-5151		۷۷/۷۰ <sup>abcd</sup>	۰/۳۲ <sup>abcd</sup>	۹۳/۵۸ <sup>bc</sup>
۲۸۱۱ اراک		۸۴/۱۷ <sup>ab</sup>	۰/۳۲ <sup>ab</sup>	۹۶/۱۶ <sup>ab</sup>
۳۴۰۷۴		۸۸/۰۳ <sup>a</sup>	۰/۳۳ <sup>a</sup>	۱۰۳/۹۳ <sup>a</sup>
۳۴۰۴۰		۷۸/۲۸ <sup>bcd</sup>	۰/۳۰ <sup>bcd</sup>	۷۸/۹۲ <sup>d</sup>
اکسیاکانتوس تهران		۴۴/۸۶ <sup>e</sup>	۰/۲۸ <sup>e</sup>	۹۳/۶۰ <sup>bc</sup>
وحشی		۷۰/۵۸ <sup>bcd</sup>	۰/۳۰ <sup>cd</sup>	۸۷/۳۴ <sup>cd</sup>
اکسیاکانتوس اصفهان		۷۲/۶۷	۰/۳۱	۹۵/۵۶
لاناتوس				میانگین

ژنوتیپ‌های دارای حرف مشترک در سطح احتمال ۵ درصد اختلاف معنی‌داری با هم ندارند.

هرچه درصد مرگ و میر ژنوتیپی در حضور بیمارگر کم‌تر باشد آن ژنوتیپ دارای مقاومت بالاتری است. در بین ژنوتیپ‌های زراعی درصد مرگ و میر گیاهچه در ژنوتیپ‌های Dinger و LRV-5151 و به ترتیب ۶۱/۵۰ و ۶۳/۰۲ درصد بود که نشان‌دهنده تحمل و یا مقاومت بیش‌تر آنها در برابر پاتوژن می‌باشد و می‌توان از آنها برای تهیه ارقام مقاوم بهره گرفت. این یافته با نتایج احمدی و همکاران (۲۰۰۸) که عنوان کردند می‌توان از ژنوتیپ Dinger برای تولید ارقام مقاوم گلرنگ در برابر بیمارگر

پیتیوم استفاده نمود، مطابقت دارد. توده وحشی اکسیاکانتوس اصفهان درصد مرگ و میر کمتری نسبت به سایر ژنوتیپ‌ها داشت، ازاین‌رو و با توجه به اینکه این توده در محیط استریل نیز از جوانهزنی قابل قبولی برخوردار بود (جدول ۳)، می‌توان گفت که منبع ژن‌های مقاومت است. سبزعلیان و همکاران (۲۰۱۰) از گونه وحشی اکسیاکانتوس به عنوان منبع مقاومت به مگس گلرنگ یاد کرده‌اند. مجیدی و همکاران (۲۰۱۱) نیز وجود ژن‌های مقاومت به خشکی را در گونه اکسیاکانتوس گزارش نمودند.

جدول ۶- نتایج تلاقی‌پذیری بین گلرنگ زراعی و توده‌های دو گونه وحشی از جنس کارتاموس

تلاقی (پدر×مادر)	تعداد طبق تلاقی داده شدۀ شده	تعداد گلچه تلاقی داده شدۀ شده	تعداد کل بذر به دست آمده	متوسط درصد تولید بذر	درصد جوانهزنی بدور	دامنه میانگین
<i>C.oxy</i> (Isf)*۳۴۰۷۴	۴۴	۵۹۵	۱۹۱	۲۷/۱۳	۴۱/۳۳	۳۲-۵۶
۳۴۰۷۴* <i>C.oxy</i> (Isf)	۶۸	۹۴۷	۴۵۴	۴۸/۱۱	۸۵/۳۳	۸۰-۸۸
<i>C.oxy</i> (Teh)*۳۴۰۷۴	۱۳	۹۹	۲۰	۱۹/۱۴	-	-
۳۴۰۷۴* <i>C.oxy</i> (Teh)	۱۰	۱۲۳	۷۶	۶۴/۴	-	-
<i>C.oxy</i> (Isf)* <i>C.oxy</i> (Teh)	۵	۶۸	۳۸	۵۹/۵۸	-	-
<i>C.oxy</i> (Teh) * <i>C.oxy</i> (Isf)	۳	۲۲	۷	۲۷/۵	-	-
<i>C.oxy</i> (Teh) * <i>C.lan</i>	۷	۵۰	-	-	-	-
<i>C.oxy</i> (Isf) * <i>C.lan</i>	۴	۲۹	-	-	-	-
*گونه زراعی <i>C.lan</i>	۱۵	۱۲۹	۲*	۲/۳۳	-	-
گونه زراعی <i>C.lan</i> *	۹	۸۷	۱۹*	۲۲/۱۴	-	-

شاخص مقاومت مواد گیاهی مورد استفاده در سطح احتمال ۱ درصد معنی‌دار بود ولی تفاوت دو توده گونه اکسیاکانتوس با یکدیگر و گونه زراعی در مقابل اکسیاکانتوس اصفهان معنی‌دار نبود (جدول ۴). هر چه شاخص مقاومت یک ژنوتیپ بیش‌تر باشد، مقاومت آن ژنوتیپ نسبت به بیمارگر بیش‌تر می‌باشد. میزان شاخص مقاومت توده‌های مورد مطالعه از دو گونه وحشی پایین‌تر از ژنوتیپ‌های می‌باشد. میزان شاخص مقاومت ژنوتیپ‌های زراعی از دو گونه وحشی پایین‌تر از ژنوتیپ‌های زراعی بود (جدول ۵). این یافته بیان‌گر از مقاومت بیش‌تر ژنوتیپ‌های زراعی می‌باشد، البته توده اکسیاکانتوس اصفهان نیز با ژنوتیپ‌های زراعی اختلاف معنی‌دار نداشت و همراه با آن‌ها در یک گروه قرار گرفتند. هیتون و کلیسویز (۱۹۸۱) اعلام کردند که گونه وحشی *C. lanatus*، از مقاومت بالایی

نسبت به بیماری‌های برگی آلتوناریا<sup>۲</sup> و ذدوموناس<sup>۳</sup> و پژمردگی فوزاریومی برخوردار است، در حالی که گونه زراعی به این بیماری‌ها حساس بود. شاخص مقاومت، پتانسیل جوانهزنی بذر در حضور بیمارگر را نشان می‌دهد و میزان مرگ و میر گیاهچه را در بر نمی‌گیرد، بنابراین استفاده همزمان آن با درصد مرگ و میر گیاهچه در محیط آلوده برای تعیین مقاومت مناسب‌تر است. بدین ترتیب هرچه شاخص مقاومت یک ژنتیپ بیشتر و همزمان درصد مرگ و میر گیاهچه آن در محیط آلوده کمتر باشد، مقاومتر است. بدین ترتیب توده اکسیاکانتوس اصفهان که فاقد تفاوت معنی‌دار از لحاظ شاخص مقاومت با ژنتیپ‌های زراعی و دارای کمترین درصد مرگ و میر گیاهچه در محیط آلوده بود را می‌توان به عنوان منبع مناسبی از ژن‌های مقاومت در نظر گرفت.

تلاقی‌پذیری بین گونه‌ای: تعداد طبق تلاقی داده شده، تعداد گلچه تلاقی داده شده، تعداد کل بذر به دست آمده، متوسط درصد تولید بذر به همراه میانگین و دامنه درصد جوانهزنی بذور دورگ حاصل از تلاقی سه گونه *C. lanatus*, *C. oxyacanthus* و *C. tinctorius* محاسبه شد (جدول ۶). در تلاقی ۳۴۰۷۴ با اکسیاکانتوس اصفهان، تعداد کل بذر دورگ تولید شده در تلاقی مستقیم (پایه مادری از گونه زراعی)، ۴۵۴ و در تلاقی معکوس ۱۹۱ عدد بود (شکل ۱). برای همین تلاقی متوسط درصد تولید بذر روی پایه وحشی ۲۷/۱۳ و روی پایه زراعی ۴۸/۱۱ بود. متوسط درصد جوانهزنی بذور دورگ حاصل روی دو پایه وحشی و زراعی به ترتیب ۴۱/۳۳ و ۸۵/۳۳ بود (جدول ۶).

در تلاقی اکسیاکانتوس تهران با ۳۴۰۷۴ نیز میانگین درصد تولید بذر روی پایه زراعی بیشتر بود. از این نتایج چنین برمنی آید که انجام هیبریداسیون بین دو گونه بالا امکان‌پذیر بوده ولی برای به دست آوردن بذر دورگ و دارای قابلیت جوانهزنی، انتخاب گونه زراعی به عنوان پایه مادری بسیار اهمیت دارد. نتایج مطالعه سبزعلیان و همکاران (۲۰۱۰) در بررسی تلاقی‌پذیری بین دو گونه یادشده نیز بیانگر تشکیل بذر بیشتر روی پایه زراعی بود. مایرهوفر و همکاران (۲۰۱۱) نیز گزارش کردند که میزان تلاقی‌پذیری بین گونه زراعی و اکسیاکانتوس به شدت تحت تأثیر نوع پایه مادری می‌باشد، به طوری که در تلاقی این دو گونه هنگامی که گونه زراعی به عنوان والد مادری باشد، بذر دورگ بیشتری تولید می‌شود. نقش والد مادری در میزان موقفيت تلاقی‌پذیری در گونه‌های دیگر نیز گزارش شده است.

محمد و همکاران (۲۰۱۰) در بررسی تلاقی‌پذیری بین لوپیای چشم بلبلی و خویشاوندان وحشی آن، مشاهده کردند درصد تلاقی‌پذیری هنگامی که گونه زراعی والد مادری است، افزایش می‌یابد.



شکل ۱- تشکیل بذر دورگ روی پایه وحشی *C. oxyacanthus* (بالا) و  
پایه گلنگ زراعی (پایین)

نقش پایه مادری در تولید بذر دورگ بین دو توده گونه وحشی اکسیاکانتوس نیز مهم بود. در تلاقی دو طرفه دو توده گونه اکسیاکانتوس با منشأهای مختلف، متوسط درصد تولید بذر هنگامی که توده اصفهان به عنوان والد مادری مورد استفاده قرار گرفت، بیشتر بود. در این تلاقی متوسط درصد تولید روی پایه اصفهان،  $۵۸/۵۸$  و روی پایه تهران  $۲۷/۵$  بود. تفاوت در قدرت تولید بذر در دو توده

این گونه را می‌توان به تفاوت در میزان تنوع ژنتیکی برای صفات کترل کننده باروری، یا به عبارتی تفاوت موانع باروری بین دو گونه نسبت داد. رام و همکاران (۲۰۰۸) در بررسی موانع تلاقی‌پذیری بین گونه زراعی پنه با ۴ گونه وحشی این گیاه، تفاوت درصد جوانه‌زنی گرده و دیگر خصوصیات مربوط به تلقیح مصنوعی نظیر ناحیه مورد استفاده کلاله در تلاقی را معنی‌دار گزارش نمودند.



شکل ۲- بذور تولید شده در تلاقی گونه زراعی و لاناتوس. بذور دورگ (بالا سمت راست)، بذر تلقیح نشده گونه لاناتوس (بالا سمت چپ) و بذور طبیعی گونه لاناتوس (پایین).

تلاقی دو گونه زراعی و لاناتوس به تولید بذور چروکیده با دو لکه در انتهای منجر شد (شکل ۲). در این تلاقی هنگامی که گونه وحشی به عنوان پایه مادری بود، بذر بیشتری تولید شد. اما در تلاقی گونه لاناتوس با توده‌های گونه اکسیاکاتنوس بذری مشاهده نشد. اگرچه تولید هیبرید بارور در تلاقی گونه زراعی و لاناتوس گزارش نشده است، اما هیتون و کلیسویز (۱۹۸۱) با دو برابر کردن کروموزوم‌ها، گیاهان آلوپلائید بارور دو گونه زراعی و لاناتوس را تولید کردند. مایرهوفر و همکاران (۲۰۱۱) نیز گزارش کردند که بذور به دست آمده از تلاقی گونه زراعی و گونه لاناتوس عقیم هستند. عقیم بودن تلاقی بین دو گونه زراعی و لاناتوس بیشتر از هر عاملی می‌تواند ناشی از تفاوت سطح پلوفیدی دو گونه باشد.

بیمارگ *P. ultimum* یکی از مهم‌ترین بیماری‌های گلنگ زراعی می‌باشد و ایجاد ارقام مقاوم و یافتن منابع ژنتیکی مقاومت در گونه‌های خویشاوند وحشی یکی از اهداف مهم اصلاح این گیاه می‌باشد. ارزیابی ژنوتیپ‌ها و توده‌های مختلف جنس کارتموس در این مطالعه نشان داد که تنوع بین گونه‌ای برای مقاومت به این بیمارگ وجود دارد. توده اکسیاکانتوس به لحاظ درصد و سرعت مرگ و میر گیاهچه و همچنین شاخص مقاومت در محیط آلوه به بیمارگ و همچنین امکان تلاقی پذیری آن با گونه زراعی از وضعیت مطلوب‌تری نسبت به سایرین برخوردار بود، بنابراین استفاده از توده‌های گلنگ وحشی *C. oxyacanthus* به عنوان منبع قابل استفاده ژن‌های مقاومت در گونه زراعی، قابل توصیه می‌باشد.

#### منابع

1. Ahmadi, A. Pahlavani, M.H. Razavi, S.E., and Maghsoudlo, R. 2008. Evaluation of safflower genotypes to find genetic sources of resistance to damping-off (*Pythium ultimum*). EJCP., 1 (1):1-16.
2. Chapman, M. A., and Burke, J.M. 2007. DNA sequence diversity and the origin of cultivated safflower (*Carthamus tinctorius* L.; Asteraceae). BMC Plant Biology. 7:1-9.
3. Dajue, L., and Mundel, H.H., 1996. Safflower (*Carthamus tinctorius* L.). IPGRI (Roma). 83pp.
4. De-vay, J.E. Garber, R.H., and Matheron, D. 1982. Role of *Pythium* species in the seedling disease complex of cotton in California. Plant Dis. 66:151-154.
5. Dittrich, M. Petrak, F. Rechinger, K.H., and Wagenitz, G. 1979. Compositae III—Cynareae. In: Rechinger KH (ed) Flora Iranica. 468pp.
6. Ershad, D. 1996. Fungi of Iran. Ministry of Jihad-e-Agriculture, Agricultural Research, Education and Extension Organization Iranian Research Institute of Plant Protection.
7. Fischer, R.A., and Maurer, R. 1978. Drought resistance in spring wheat cultivars, I. Grain yield responses. Aust. Agric. Res. 29:897-915.
8. Ghaderi, M. Pahlevani M., and Razavi, S. 2011. Inheritance of resistance to *Pythium ultimum* in safflower determined by generation means analysis. AJCS. 5(4):439-446.
9. Ghaderifar, F., and Soltani, A. 2011. Seed control and certification. Mashhad: JDM Press. 175p.
10. Heaton, T.C., and Klisiewicz, J.M. 1981. A disease-resistant safflower allopolloid from *Carthamus tinctorius* L. × *C. lanatus* L. Can. J. Plant Sci. 61: 219-224.

11. Huang, H.C. Morrison, R.J. Mundel, H.H. Barr, D.J. Klassen, G.R., and J. Buchko, J. 1992. Pythium sp. "group G", a form of *Pythium ultimum* causing damping-off of safflower. Can. J. Plant Pathol. 14: 229-232.
12. Knowles, P.F. 1980. Safflower. In W.R. Fehr and H. H. Hadley, (Eds.). *Hybridization of crop plants*. (Pp. 535-547). American Society of Agronomy, Madison, Wisconsin, USA.
13. Majidi, M. Tavakoli, M. Mirlohi, A., and Sabzalian, M.R. 2011. Wild safflower species (*Carthamus oxyacanthus* Bieb.): A possible source of drought tolerance for arid environments. AJCS. 5:1055-1063.
14. Mayerhofer, M.R. Mayerhofer, D. Topinka, J. Christianson, and Good, A.G. 2011. Introgression potential between safflower (*Carthamus tinctorius*) and wild relatives of the genus *Carthamus*. BMC Plant Biology. <http://www.biomedcentral.com/1471-2229/11/47>.
15. Mohammed, M., Russom, Z. and Abdul, S.D. 2010. Studies on crossability between cultivated cowpea (*Vigna unguiculata* [L.] Walp.) varieties and their wild relative (var. pubescens TVNu110-3A). International Res J Plant Sci. 1:133-135.
16. Mundel, H.H. and Bergman, J.W. 2009. Safflower. In Vollmann, J., and Rajcan, I (Eds). Oil Crops. © Springer Science+Business Media. p:423-444.
17. Mundel, H.H. Huang, H.C. Kozub, G.C. and Barr, D.J.S. 1995. Effect of soil moisture and temperature on seedling emergence and incidence of *Pythium* damping-off in safflower (*Carthamus tinctorius* L.). Can. J. Plant Sci. 75:505-509.
18. Pahlavani, M. Razavi, S. Kavusi, F. and Hasanpoor, M. 2009. Influence of temperature and genotype on *Pythium* damping-off in safflower. Plant Breed. Crop Sci. 1:001-007.
19. Pahlevani, M. Ahmadi, A. and Razavi, S. 2010. Assessment of safflower for susceptibility to *Pythium ultimum*, the causal agent of damping-off. Plant Breed. Crop Sci. 62:17-29.
20. Ram, S., Ramakrishnan, G. Thiruvengadam, S.H. and Bapu, R.K. 2008. Prefertilization barriers to interspecific hybridization involving *Gossypium hirsutum* and four diploid wild species. Plant Breed. 127: 295-300.
21. Sabzalian, M.R. Saeidi, G. and Mirlohi, A. 2008. Oil content and fatty acid composition in seeds of three safflower species. J. Am. Oil Chem. Soc. 85:717-721.
22. Sabzalian , M. R. Saeidi, G. and Mirlohi, A.F. 2010. An investigation of crossability and interspecific hybrids between cultivated (*Carthamus tinctorius* L.) and wild (*C. oxyacantha* Bieb.) safflower. Iran J. Field Crop Sci. 40: 177-185.(in Persian)

23. Sabzalian, M.R. Saeidi, G. Mirlohi, A. and Hatami, B. 2010. Wild safflower species (*Carthamus oxyacanthus*): A possible source of resistance to the safflower fly (*Acanthiophilus helianthi*). *Crop Prot.* 29: 550–555.
24. Sadravi, M. 2004. Diseases of oilseed crops. Mashhad: JDM Press.
25. SAS Institute Inc. 1996. SAS/STAT Users guide *SAS Institute Inc.* (Cary, NC).
26. Sehgal, D. Raina, S.N. Devarumath, R.M. Sasanuma, T. and Sasakuma, T. 2009. Nuclear DNA assay in solving issues related to ancestry of the domesticated diploid safflower (*Carthamus tinctorius* L.) and the polyploid (*Carthamus*) taxa, and phylogenetic and genomic relationships in the genus *Carthamus* L. (Asteraceae). *Mol. Phylogen. Evol.* 53:631–644.
27. Soltani, A. 2007. Application of SAS in statistical analysis. Mashhad: JDM Press. 72p.
28. Vilatersana, R. Garnatje, T. Susanna, A. and Garcia, N.J. 2005. Taxonomic problems in *Carthamus* (Asteraceae): RAPD markers and sectional classification. *Bot. J. Linnean Society.* 147: 375-383.
29. Vilatersana, R. Susanna, A. Garcia, N. J. and Garnatje, T. 2000. Generic delimitation and phylogeny of the *Carduncellus-Carthamus* complex (Asteraceae) based on ITS sequences. *Plant Syst. Evol.* 221: 89-105.
30. Yazdi-Samadi, B. Rezaei, A. and Valyzadeh, M. 1998. Statistical Designs in Agricultural Research. Tehran University Press, Iran. 763p.
31. Zeinali, E. 1999. Safflower, characteristics, production and utilization. Gorgan University Press, Iran, 137p.



## Crossability and resistance to *Pythium ultimum* in three different species of the genus *Carthamus*

**H. Bagmohammadi<sup>1</sup>, \*M. Pahlevani<sup>2</sup>, A. Ahmadikhah<sup>2</sup> and S.E. Razavi<sup>2</sup>**

<sup>1</sup>Graduated M.Sc. student of Plant Breeding, <sup>2</sup>Academic staff of Gorgan University of Agricultural Sciences and Natural Resources, Iran

### Abstract

Identification and transfer of desirable genes from wild relatives to crop species is one of the breeding solutions for producing resistance to pathogens and pests. This study was conducted to evaluate crossability and the response to *Pythium ultimum* in three species of the genus *Carthamus*. To assess response to the pathogen, eight cultivated safflower (*Carthamus tinctorius* L.) genotypes, two ecotypes of wild species *C. oxyacanthus* collected from Tehran and Isfahan, and one ecotype of wild species *C. lanatus* collected from Golestan province as sub factor were cultured on pathogen-free and infested medium with zoospore suspension of *P. ultimum* as main factor in a split plot design with 4 replications. Suspension of  $10^5$  zoospore per milliliter was used for inoculation. At the pathogen-free media, seed germination of cultivated and *C. lanatus* genotypes was higher than 90%, but at the infested media just cultivated genotypes had germination to this extent. The crossability experiment shows that, success in interspecific hybrid seed production is highly depended on choosing the seed producing parent. In the cross of cultivated species with *C. oxyacanthus*; more hybrid seed was obtained when *C. oxyacanthus* was female parent. Produced seeds on the cross of cultivated species and *C. oxyacanthus* had enough germination ability, but it was nothing for seeds obtained from cross of cultivated species and *C. lanatus*. Resistance of *C. oxyacanthus* to the pathogen *Pythium* and success in hybrid seed production show the potential of this species for transferring of resistance and other favorable traits to cultivated safflower.

**Keywords:** Interspecific hybridization; Wild relatives; Zoospore; Seed.

---

\* Corresponding author; Email: [hpahlavani@yahoo.com](mailto:hpahlavani@yahoo.com)