

تشخیص ژن‌های متالوبتالاکتامازی *blaIMP* و *blaVIM* در سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا ایزوله‌شده از زخم بیماران بستری در بیمارستان سوانح و سوختگی شهید مطهری تهران، سال ۱۳۹۰

فاطمه فلاح^۱، ربیوار شمس برهان^۲، زری قلی‌نژاد^۳، زهرا ظهیرنیا^۴، سعادت آدابیان^۵، محبوبه ستارزاده تبریزی^۶، علی هاشمی^{*}

چکیده

زمینه و هدف: در طی سالهای اخیر، سودوموناس آئروژینوزا تولیدکننده متالوبتالاکتاماز، به‌عنوان یک عامل مهم عفونت‌های بیمارستانی گزارش شده است. همچنین عفونت با این باکتری، افزایش میزان مرگ و میر و هزینه‌های درمانی را در پی داشته است. این مطالعه، با هدف تعیین الگوی مقاومت دارویی و شناسایی ژن‌های متالوبتالاکتامازی *blaIMP* و *blaVIM* سودوموناس آئروژینوزا ایزوله‌شده از بیماران بستری در بخش سوختگی صورت گرفت.

روش بررسی: این مطالعه به روش توصیفی، از مهرماه تا بهمن‌ماه سال ۱۳۹۰ بر روی سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا ایزوله‌شده از بیماران بستری در بخش سوختگی بیمارستان شهید مطهری تهران انجام شد. برای همه سویه‌های تولیدکننده متالوبتالاکتاماز، الگوی مقاومت آنتی‌بیوتیکی با استفاده از روش دیسک دیفیوژن، طبق پروتکل CLSI به کار برده شد. جهت تشخیص متالوبتالاکتاماز از روش CDDT (ایمی‌پنم-ایمی‌پنم+EDTA) و برای شناسایی ژن‌های متالوبتالاکتامازی *blaVIM* و *blaIMP* از روش‌های PCR و Sequencing استفاده شد.

یافته‌ها: از ۱۰۰ سویه سودوموناس آئروژینوزا جداشده، ۸۳ ایزوله مقاوم به ایمی‌پنم بودند. با استفاده از روش CDDT، ۴۸ ایزوله دارای متالوبتالاکتاماز تشخیص داده شدند، که از این تعداد، ۶ ایزوله حاوی ژن *blaIMP-1* و همگی فاقد ژن *blaVIM* بودند. در ضمن، ۴ بیمار (۳/۸٪) آلوده‌شده به سودوموناس آئروژینوزا تولیدکننده متالوبتالاکتاماز، در این بیمارستان فوت کردند.

نتیجه‌گیری: نتایج این مطالعه نشان داد درصد زیادی از سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا، تولیدکننده متالوبتالاکتاماز هستند. بنابراین، برای کنترل و درمان بهتر بیماران سوختگی، شناسایی سویه‌های حاوی متالوبتالاکتاماز ضروری است.

کلید واژه‌ها: سودوموناس آئروژینوزا؛ مقاومت باکتری به دارو؛ بتالاکتاماز؛ سوختگی؛ VIM-7-metallB-beta-lactomase

^۱استاد میکروبی‌شناسی، مرکز تحقیقات عفونی اطفال بیمارستان مفید، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران.

^۲کارشناس ارشد میکروبی‌شناسی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران.

^۳کارشناس علوم آزمایشگاهی، مرکز تحقیقات عفونی اطفال بیمارستان مفید، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران.

^۴کارشناس علوم آزمایشگاهی، مرکز تحقیقات مقاومت آنتی‌بیوتیکی، دانشگاه علوم پزشکی ایران، تهران، ایران.

^۵کارشناس علوم آزمایشگاهی، بیمارستان سوانح و سوختگی شهید مطهری، تهران، ایران.

^۶دکتری تخصصی باکتری‌شناسی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران.

*نویسنده مسئول مکاتبات:

علی هاشمی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران؛

آدرس پست الکترونیکی:

hashemi1388@yahoo.com

تاریخ دریافت: ۹۱/۵/۱۵

تاریخ پذیرش: ۹۱/۷/۲

لطفاً به این مقاله به‌صورت زیر استناد نمایید:

Fallah F, Shams Borhan R, Gholinejad Z, Zahirnia Z, Adabiyan S, Sattarzadeh Tabrizi M, Hashemi A. Detection of *blaIMP* and *blaVIM* Metallo-beta-lactamases genes in *Pseudomonas aeruginosa* strains isolated from wound of burnt patients in Tehran Shahid Motahari hospital during 2011, Iran. Qom Univ Med Sci J 2013;7(5):21-27. [Full Text in Persian]

مقدمه

مقاومت آنتی‌بیوتیکی در پاتوژن‌های باکتریایی، یک تهدید جدی برای انسانها محسوب می‌شود، که بیماران را در سرتاسر بیمارستان‌های جهان تحت تأثیر خود قرار داده است (۳،۱). گسترش و انتشار سریع باکتری‌های مقاوم به چند دارو (Multi Drug Resistant) MDR، به‌عنوان یک مشکل مهم سلامت عمومی ظهور یافته است (۴). از این‌رو سازمان بهداشت جهانی (WHO) سال ۲۰۱۱ را به‌عنوان سال مقاومت آنتی‌بیوتیکی نامید (۵،۶).

سودوموناس آئروژینوزا یک پاتوژن فرصت‌طلب بوده که قادر به تولید مواد خارج سلولی از قبیل الاستاز، آلکالین پروتئاز، همولیزین، آگروتوکسین A، آگزوانزیم S و پیوسیانین است. همچنین این باکتری عامل عفونت‌های مختلفی از قبیل سپتی‌سمی، پنومونی، عفونت‌های دستگاه ادراری، باکتری، اندوکاردیت، عفونت‌های پوستی، عفونت‌های گوش و عفونت‌های چشمی می‌باشد (۸،۷). این باکتری به‌عنوان یکی از عوامل عفونت‌های بیمارستانی نیز عامل اصلی مرگ و میر در افراد مبتلا به سیستمیک فیبروزیس، نوتروپنی، افراد دچار سوختگی شدید و مبتلا به ایدز شناخته شده است (۹). زمانی که عفونت به‌وسیله این باکتری در افراد دچار سوختگی ایجاد می‌شود، درمان این بیماران بسیار مشکل خواهد بود؛ زیرا باکتری قادر است به‌طور قابل‌توجهی به بسیاری از آنتی‌بیوتیک‌های رایج مقاوم شود که به‌عنوان یک تهدید جدی برای بیماران بستری در بیمارستان‌های سراسر دنیا مطرح است (۱۰). آنتی‌بیوتیک‌های مورد استفاده، به‌ویژه در درمان بیماران بستری در بخش سوختگی، گروه کارباپنم‌ها هستند، که مقاومت به این آنتی‌بیوتیک‌ها بیشتر به دلیل تولید متالوبتالاکتامازها VIM، IMP می‌باشد (۱۱،۱۲). آنزیم‌های متالوبتالاکتامازهای (MBL) موجود بر روی عناصر ژنتیکی (ترانسپوزون و پلاسمید)، در گروه B طبقه‌بندی Ambler قرار دارند و قادر به هیدرولیز آنتی‌بیوتیک‌های کارباپنم (ایمی‌پنم، مروپنم، ارتاپنم و دورپنم) و تقریباً همه عوامل دارویی بتالاکتام با طیف وسیع هستند. متالوبتالاکتامازها در جایگاه فعال خود، دارای فلز روی بوده و توسط شلاته‌کننده‌های فلزی از قبیل دی‌آمین تتراستیک اسید (EDTA) مهار می‌شوند و مهارکننده‌های بتالاکتاماز

مانند سولباکتام، تازوباکتام و یا کلاولانیک اسید قادر به مهار آن نیستند (۱۳). سودوموناس آئروژینوزا تولیدکننده متالوبتالاکتاماز، اولین بار در سال ۱۳۹۱ در کشور ژاپن گزارش شد و پس از آن در آمریکا، اروپا و افریقا مشاهده گردید (۱۴). در مطالعه فاضلی و همکاران، ۵۵/۸٪ سویه‌های مقاوم به ایمی‌پنم تولیدکننده متالوبتالاکتاماز بودند (۱۵) و در مطالعه خسروی و همکاران نیز این میزان ۱۹/۵۱٪ (۱۶) گزارش شد. همچنین در تحقیقی که شکیبایی و همکاران در سال ۱۳۸۷ در شهر کرمان انجام دادند برای شناسایی متالوبتالاکتامازها از نوارهای E-Test MBL استفاده شد که نتایج نشان داد هیچ‌کدام از سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا حاوی متالوبتالاکتاماز نبوده‌اند (۱۷). در حال حاضر، سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا تولیدکننده متالوبتالاکتاماز از سرتاسر دنیا گزارش می‌شوند. بنابراین، این پژوهش با هدف تعیین تشخیص ژن‌های متالوبتالاکتامازهای blaVIM و blaIMP در سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا ایزوله‌شده از بیماران بستری در بخش بیمارستان شهید مطهری تهران صورت گرفت.

روش بررسی

این مطالعه توصیفی، از مهرماه تا بهمن‌ماه سال ۱۳۹۰ بر روی سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا ایزوله‌شده از بیماران بستری در بخش سوختگی بیمارستان شهید مطهری تهران صورت شد. ابتدا محل زخم بیماران با سرم فیزیولوژی شستشو داده شد، سپس به‌وسیله یک سواب استریل، نمونه‌گیری انجام گرفت. سپس سواب‌ها داخل محیط انتقالی استوارت قرار گرفته و سریعاً به آزمایشگاه میکروبی‌شناسی مرکز تحقیقات عفونی بیمارستان مفید انتقال یافتند و بر روی محیط‌های سیتیماید آگار و مک‌کانکی آگار کشت داده شدند. محیط‌های کشت در داخل انکوباتور 37°C به مدت ۲۴ ساعت نگهداری و بعد از این مدت، کلنی‌های رشدیافته جهت انجام تست‌های تشخیصی و افتراقی از قبیل رنگ‌آمیزی گرم، اکسیداز، کاتالاز، محیط OF، تولید اندول، تولید پیگمان، و رشد در دمای 42°C مورد آزمایش و ارزیابی قرار گرفتند. مقاومت دارویی ایزوله‌های تولیدکننده متالوبتالاکتاماز جداشده نسبت به آنتی‌بیوتیک‌های (جتتامایسین (GM)، آمیکاسین (AK)، کاربنی‌سیلین (Car)، مروپنم (MEM)، توبرامایسین (TN)،

جدول شماره ۱: دماهای مورد استفاده برای شناسایی ژن‌های

PCR Steps	دما بر حسب سانتی گراد	
	<i>blaIMP</i>	<i>blaVIM</i>
Initial denaturation	۹۴	۹۴
Denaturation	۹۴	۹۴
Annealing	۵۵	۵۷
Extension	۷۲	۷۲
Final extension	۷۲	۷۲
Cycle	۳۶	۳۶

جدول شماره ۲: پرایمرهای مورد استفاده در انجام PCR

ژن شناسایی شده	سکانس ژن
VIM2004A	(5' - GTT TGG TCG CAT ATC GCA AC - 3')
VIM2004B	(5' - AAT GCG CAG CAC CAG GAT AG - 3')
IMP-A	(5' - GAA GGC GTT TAT GTT CAT AC - 3')
IMP-B	(5' - GTA TGT TTC AAG AGT GAT GC - 3')

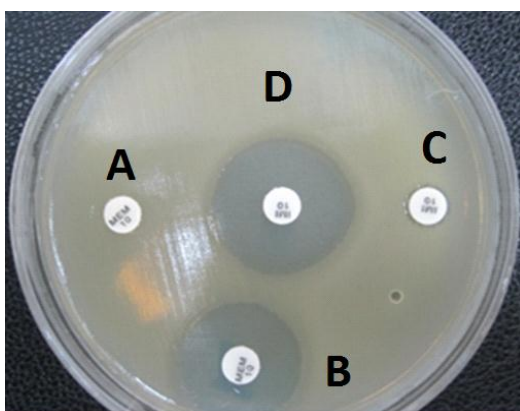
۰/۵µl از DNA استخراج شده و ۰/۵µl از هر پرایمر، به کیت PCR Master (شرکت Bioneer کشور کره جنوبی) با حجم نهایی ۲۰µl اضافه گردید. از سویه سودوموناس آئروژینوزا حاوی ژن‌های IMP و VIM به عنوان کنترل مثبت و از مارکر bp100 برای تأیید وزن مولکولی استفاده شد. الکتروفورز نمونه‌ها در ژل ۱٪ انجام و پس از رنگ آمیزی با اتیدیوم بروماید، نتایج با دستگاه Gel doc (Bio-RAD) با نور UV مشاهده گردید. محصول PCR با استفاده از کیت شرکت Bionner ساخت کشور کره جنوبی خالص سازی و برای تعیین توالی به شرکت ذکر شده فرستاده شد.

یافته‌ها

از مهرماه تا بهمن‌ماه سال ۱۳۹۰ از بیماران بستری در بخش سوختگی بیمارستان شهید مطهری تهران، ۱۰۰ سویه سودوموناس آئروژینوزا جدا شد. ۷۲ ایزوله (۷۲٪) مربوط به جمعیت مردان و ۲۸ ایزوله (۲۸٪) مربوط به جمعیت زنان بود. از ۱۰۰ سویه سودوموناس آئروژینوزا ایزوله شده، ۸۳ مورد مقاوم به ایمنی پنم گزارش شد که در این میان، ۴۸ ایزوله دارای آنزیم متالوبیتالاکتاماز بودند (شکل شماره ۱) و ۴ بیمار نیز در اثر عفونت فوت کردند.

سیروفلوکسازین (CIP)، سفنازیدیم (CAZ)، ایمپینم (IMI)، سفوتاکسیم (CTX) و آزترونام (ATM) (خریداری شده از شرکت MAST انگلستان) به روش انتشار دیسک در آگار (Disk diffusion) بر اساس پروتکل CLSI تعیین گردید. از سویه *P. aeruginosa* ATCC 27853 برای کنترل استفاده شد. جهت جداسازی سویه‌های تولیدکننده متالوبیتالاکتاماز، از روش CDDT با استفاده از دیسک ایمنی پنم و ایمنی پنم EDTA استفاده شد. برای انجام این آزمایش ابتدا محلول EDTA ۰/۵M با حل کردن ۱۸۶/۱g پودر EDTA در ۱۰۰۰ml آب مقطر تهیه و pH آن با استفاده از NaOH روی ۸ تنظیم و توسط اتوکلاو استریل شد و حجمی از محلول که حاوی ۷۵۰µg EDTA بود، به دیسک‌های ایمنی پنم اضافه و سپس در انکوباتور خشک شد. در مرحله بعد، سویه‌های مقاوم به ایمنی پنم بر روی پلیت حاوی مولر هیتون تلقیح شد و در ادامه، یک عدد دیسک ایمنی پنم ۱۰µg و یک عدد دیسک ایمنی پنم ۱۰µg حاوی EDTA ۷۵۰µg با فاصله مناسب در سطح پلیت قرار گرفت و به مدت ۲۴ ساعت در ۳۵°C انکوبه گردید.

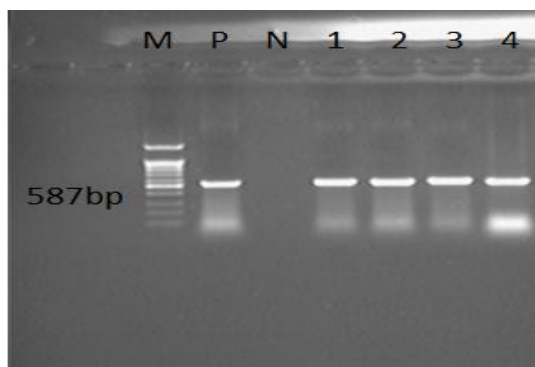
افزایش قطر هاله عدم رشد به میزان بیشتر یا مساوی ۷mm در اطراف دیسک ایمنی پنم حاوی EDTA نسبت به دیسک ایمنی پنم به تنهایی نشان‌دهنده تولید متالوبیتالاکتاماز می‌باشد. برای استخراج DNA سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا از روش Boiling استفاده گردید، بدین صورت که مقدار ۲۰۰µl از آب مقطر استریل داخل میکروتیوب ریخته شد، سپس ۳-۴ کلنی از کلنی‌های تازه کشت شده، در داخل آن حل گردید. در ادامه، خوب ورتکس شده و به مدت ۱۰ دقیقه در داخل آب جوش ریخته شد. سوسپانسیون فوق به مدت ۵ دقیقه با دور ۱۰۰۰۰ سانتریفوژ و مایع رویی آن جدا شد و به یک میکروتیوب جدید انتقال یافت، مایع رویی حاوی DNA باکتری بود. روش PCR برای شناسایی ژن‌های *blaIMP* و *blaVIM* در سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا ایزوله شده با استفاده از دما و پرایمرهای اختصاصی این ژن‌ها انجام گرفت (جدول شماره ۱ و ۲).



شکل شماره ۱: تست فنوتیپی (CDDT) برای شناسایی سودوموناس آئروژینوزا حاوی متالوبتالاکتاماز A: دیسک مروپنم؛ B: دیسک EDTA+ مروپنم؛ C: دیسک ایمی پنم؛ D: دیسک ایمی پنم+ EDTA

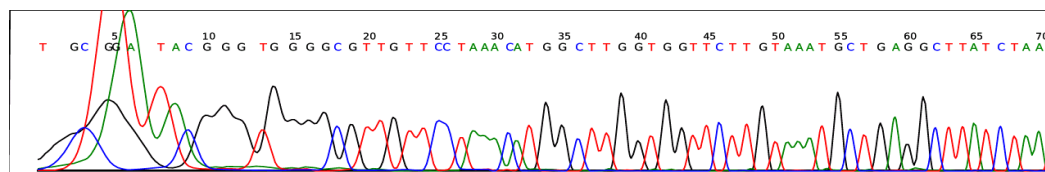
سودوموناس آئروژینوزا حاوی ژن *blaIMP* و تمامی سویه‌ها فاقد ژن *blaVIM* می‌باشند (شکل شماره ۲). توالی‌های ارسالی با استفاده از نرم‌افزار مگا-۴ و کوروماس مورد بررسی و با سیستم BLAST چک گردید که مشخص شد ۶ ایزوله حاوی ژن IMP-1 می‌باشد (شکل شماره ۳).

همه سویه‌های تولیدکننده متالوبتالاکتاماز به آنتی‌بیوتیک‌های ایمی پنم، مروپنم، سفوتاکسیم، سفنازیدیم، آمیکاسین، سیپروفلوکساسین، کاربنی‌سیلین و آزترونام ۱۰۰٪ مقاوم بودند و به آنتی‌بیوتیک جنتامایسین ۲۳ (۴۹٪) ایزوله تولیدکننده متالوبتالاکتاماز مقاومت نشان دادند. با استفاده از روش PCR مشخص گردید از ۴۸ سویه حاوی متالوبتالاکتاماز، ۶ سویه



شکل شماره ۲: الکتروفورز ژل آگارز محصول PCR ژن *blaIMP* M مارکر، p کنترل مثبت ۱، ۲، ۳ و ۴ نمونه‌های مثبت برای ژن *blaIMP* (587bp) و N کنترل منفی.

TGCGGATACGGGTGGGGCGTTGTTCCTAAACATGGCTTGGTGGTTCTTGTAATGCTGAGGC
TTATCTAATTGACACTCCATTTACGGCTAAAGATACTGAAAAGTTAGTCACTGGTTTGTGGA
GCGTGGCTATAAAAATAAAAGGCAGTATTTCTCCTCATTTTCATAGCGACAGCACGGGCGGTA
TAGAGTGGCTTAATTCTCGATCTATCCCCACGTATGCATCTGAATTAACAAATGAACGCTTA
AAAAAGACGGTAAGGTTCAAGCCACAAATTCATTTAGCGGAGTTAACTATTGGCTAGTTAAA
AATAAAATTGAAGTTTTTTATCCAGGCCCGGGACACACTCCAGATAACGTAGTGGTTTGGCT
GCCTGAAAGGAAAATATTATTCGGCGGTTGTTTTATTAACCGTACGGTTTAGGCAATTTGG
GTGACGCAAATATAGAAGCTTGGCCAAAGTCCGCCAAATTATTAAGTCCAAATATGGTAAG
GCAAAACTGGTTGTTCCAAGTCACAGTGAAGTTGGAGACGCATCACTTGAAAAAACATAAA
CAA.



شکل شماره ۳: توالی و کروماتوگرام ژن IMP-1 سودوموناس آئروژینوزا ایزوله شده از بیمار بستری در بیمارستان شهید مطهری تهران. توالی ژن مورد نظر با نرم‌افزارهای کوروماس و مگا-۴ ارزیابی و با BLAST چک شده است.

بحث

افزایش مقاومت نسبت به کارباپنم (ایمی‌پنم، مروپنم، ارتاپنم و دورپنم) به وسیله باکتری‌های تولیدکننده متالوبتالاکتاماز (MBL)، به ویژه در سودوموناس آئروژینیوزا دیده شده است (۱۸). سودوموناس آئروژینیوزا تولیدکننده متالوبتالاکتاماز (MBL)، به عنوان عامل مهمی در عفونت‌های بیمارستانی مطرح است (۱۹). به دلیل مقاومت بالای باکتری‌های مولد این آنزیم‌ها و ایجاد عفونت‌های شدید از قبیل سپتی‌سمی و پنومونی، خطر مرگ و میر ناشی از حضور این سویه‌ها نسبت به سایر باکتری‌های مقاوم به ایمی‌پنم در عفونت‌ها بیشتر است. شناسایی و تشخیص به موقع متالوبتالاکتامازها در باکتری‌های مقاوم به کارباپنم، هم از لحاظ اپیدمیولوژیک و هم به منظور کمک به پزشکان، در انتخاب داروی مناسب برای درمان موفق بیماران و نیز کنترل سویه‌های مقاوم به داروها و جلوگیری از انتشار چنین عفونت‌هایی در بیمارستان، ضروری به نظر می‌رسد. از آنجایی که ژن‌های متالوبتالاکتاماز بر روی عناصر ژنتیکی از قبیل اینتگرین و پلاسمید قرار دارند، لذا می‌توانند از یک باکتری به باکتری دیگر، از یک انسان به انسان دیگر و حتی از یک کشور به کشور دیگر منتقل شوند. باکتری‌های حاوی متالوبتالاکتاماز به طیف وسیعی از داروهای کلینیکی از قبیل آنتی‌بیوتیک‌های بتالاکتام، آمینوگلیکوزیدها، فلوروکینولون‌ها، ماکرولیدها، سفالوسپورین‌ها، کارباپنم‌ها و دیگر داروهای ضد میکروبی که به صورت بالینی استفاده می‌شوند، مقاوم هستند (۱۱، ۱۲). نتایج حاصل از این بررسی نشان داد ۸۳ سویه، مقاوم به ایمی‌پنم بوده که در این میان مشخص گردید ۴۸ سویه با انجام تست CDDT، حاوی متالوبتالاکتاماز می‌باشند.

در مطالعه حاضر همه سویه‌های تولیدکننده متالوبتالاکتاماز به آنتی‌بیوتیک‌های ایمی‌پنم، مروپنم، سفوتاکسیم، سفتازیدیم، آمیکاسین، سیپروفلوکساسین، کاربنی‌سیلین و آزترونام، ۱۰۰٪ مقاومت نشان دادند و به آنتی‌بیوتیک جنتامایسین ۲۳ (۴۹٪) ایزوله تولیدکننده متالوبتالاکتاماز مقاوم بودند. در مطالعه‌ای که فاضلی و همکاران (سال ۱۳۸۷) در شهر اصفهان انجام دادند ۹۴٪ از ایزوله‌های سودوموناس آئروژینیوزا به آنتی‌بیوتیک‌های ایمی‌پنم، پپراسیلین و سیپروفلوکساسین مقاوم بودند و تمامی سویه‌ها نیز به

آنتی‌بیوتیک‌های سفتازیدیم و تیکارسیلین مقاومت ۱۰۰٪ نشان دادند (۱۵). در مطالعه حاضر، از مهارکننده EDTA برای مهار متالوبتالاکتاماز استفاده شد که به دلیل ارزان بودن، استفاده و تفسیر آسان؛ مناسب‌تر از روش‌های دیگر بود. در مطالعه خسروی و همکاران (سال ۲۰۰۸)، با روش E-Test این میزان ۱۹/۵۱٪ گزارش شد (۱۶). همچنین در تحقیقی که توسط شکیبایی و همکاران (سال ۱۳۸۷) در شهر کرمان انجام شد برای شناسایی متالوبتالاکتامازها از نوارهای E-Test MBL استفاده گردید که در نتیجه هیچ کدام از سویه‌های سودوموناس آئروژینیوزا حاوی متالوبتالاکتاماز نبودند (۱۷). تفاوت میزان متالوبتالاکتامازها می‌تواند ناشی از تفاوت مقاومت در مناطق مختلف، نوع عفونت و یا نوع روش استفاده شده باشد. از آنجایی که علاوه بر متالوبتالاکتامازها، مکانیسم‌های دیگری نیز در مقاومت به کارباپنم‌ها نقش دارند، لذا به نظر می‌رسد انجام روش‌های مولکولی از قبیل PCR برای شناسایی این ژن‌ها ضروری است. در مطالعه‌ای که توسط شاهچراغی و همکاران در سال ۱۳۸۷ در سویه‌های سودوموناس آئروژینیوزا ایزوله شده از بیمارستان امام خمینی انجام شد از ۱۵ ایزوله حاوی متالوبتالاکتاماز، ۱۳ سویه حاوی ژن VIM بودند (۲۰)، که این امر نشان می‌دهد پراکندگی ژن‌های متالوبتالاکتامازی در شهر تهران از یک بیمارستان به بیمارستان دیگر متفاوت است؛ به طوری که در مطالعه حاضر در بیمارستان شهید مطهری، ۶ سویه حاوی ژن *blaIMP-1* و تمامی سویه‌ها فاقد ژن *blaVIM* بودند. در بررسی که Tewfik و همکاران (سال ۲۰۱۲) در کشور عربستان بر روی ۱۵۶ سویه سودوموناس آئروژینیوزا انجام دادند، هر ۱۵ ایزوله حاوی متالوبتالاکتاماز حاوی ژن VIM بود (۲۱). همچنین در تحقیقی دیگر توسط Nelly و همکاران (سال ۲۰۱۱) در کشور مصر بر روی سویه‌های سودوموناس آئروژینیوزا، از روش DDST برای شناسایی متالوبتالاکتاماز و از روش PCR برای شناسایی ژن‌های *VIM* و *SPM* استفاده شد که از ۵۲٪ سویه‌های حاوی متالوبتالاکتاماز، ۲۷٪ حاوی ژن *VIM* بود (۲۲). همچنین در مطالعه‌ای که توسط Yoo و همکاران در کشور کره جنوبی (سال ۲۰۱۲) بر روی سویه‌های سودوموناس آئروژینیوزا انجام گرفت از ۶۴۴ ایزوله، ۲۴۴ ایزوله مقاوم به ایمی‌پنم بود که از این

دیگر بیماران جدا شده و تحت مراقبت ویژه قرار گیرند. متأسفانه ۴ بیمار آلوده به سودوموناس آئروژینوزا حاوی متالوبتالاکتاماز فوت کردند. از این رو شناسایی به موقع باکتری‌های تولیدکننده متالوبتالاکتاماز، به ویژه در سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا، برای کنترل و درمان مناسب بیماران ضروری است. همچنین باید نظارت کافی در تجویز آنتی‌بیوتیک‌ها در نظر گرفته شود و بخش‌های مختلف بیمارستان از نظر آلودگی مورد بررسی قرار گیرند تا در صورت لزوم، با به کار بردن تدابیر لازم، آلودگی برطرف و از انتقال آن به بخش‌ها و بیماران دیگر جلوگیری شود.

تشکر و قدردانی

بدین وسیله از کارکنان مرکز تحقیقات اطفال بیمارستان مفید، همکاران بخش میکروبی‌شناسی دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی و کارکنان بخش سوختگی بیمارستان مطهری شهر تهران کمال تشکر را داریم.

تعداد با روش PCR، ۴۱ سویه حاوی متالوبتالاکتاماز و ۳۵ ایزوله حاوی ژن *IMP-6* تشخیص داده شد (۲۳). در مطالعه حاضر میزان سویه‌های متالوبتالاکتاماز مثبت در ایران بیشتر از مطالعات نام‌برده بود که نشان‌دهنده افزایش سویه‌های تولیدکننده متالوبتالاکتاماز می‌باشد.

نتیجه‌گیری

با توجه به مقاومت بالای سویه‌های سودوموناس آئروژینوزاهای جدا شده از بیماران بستری در بیمارستان مطهری، به نظر می‌رسد که این سویه‌ها از چندین مکانیسم مقاومت دیگر از قبیل Efflux Pump، آنزیم‌های بتالاکتاماز با طیف وسیع، مکانیسم‌های مقاومت به فلوروکینولون‌ها و آمینوگلیکوزیدها برخوردار هستند. از آنجایی که متالوبتالاکتامازها بر روی عناصر ژنتیکی متحرک از قبیل اینتگرین و پلاسمید قرار دارند، می‌توانند به بیماران دیگر نیز منتقل شوند. بنابراین، ضروری به نظر می‌رسد که این بیماران از

References:

1. Green VL, Verma A, Owens RJ, Phillips SE, Carr SB. Structure of new delhi metallo- β -lactamase 1 (ndm-1). Acta Crystallogr Sect F Struct Biol Cryst Commun 2011 Oct 1; 67(Pt 10):1160-4.
2. Jean SS, Hsueh PR. High burden of antimicrobial resistance in Asia. Int J Antimicrob Agents 2011;37(4):291-5.
3. Fernández A, Pereira MJ, Suárez JM, Poza M, Treviño M, et al. Emergence in Spain of a multidrug-resistant Enterobacteriaceae clinical isolate producing sfo-1 extended-spectrum beta-lactamase. J Clin Microbiol 2011 Mar; 49(3):822-8.
4. Diene SM, Bruder N, Raoult D, Rolain JM. Real-time PCR assay allows detection of the new delhi metallo- β -lactamase (ndm-1)-encoding gene in France. Int J Antimicrob Agents 2011 Jun; 37(6):544-6.
5. Tseng SH, Lee CM, Lin TY, Chang SC, Chang FY. Emergence and spread of multi-drug resistant organisms: Think globally and act locally. J Microbiol Immunol Infect 2011 Jun; 44(3):157-65.
6. Lye DC, Kwa AL, Chlebicki P. World Health Day 2011: Antimicrobial resistance and practical solutions. Ann Acad Med Singapore 2011 Apr; 40(4):156-2.
7. Lee S, Park YJ, Kim M, Lee HK, Han K, Kang CS, et al. Prevalence of ambler class a and d β -lactamases among clinical isolates of Pseudomonas aeruginosa in Korea. J Antimicrob Chemother 2005;56:122-7.
8. Tredget EE, Shankowsky HA, Rennie R, Burrell RE, Logsetty S. Pseudomonas infections in the thermally injured patient. Burns 2004;30:3-26.
9. Shahcheraghi F, Feizabadi MM, Yamin V, Abiri R, Abedian Z. Serovar determination, drug resistance patterns and plasmid profiles of Pseudomonas aeruginosa isolated from burn patients at two hospitals of Tehran (IRAN). Burns 2003;29:547-51.

10. Karmi Estahbanati H, Pour Kashani P, Ghanaatpisheh F. Frequency of *Pseudomonas aeruginosa* serotypes in burn wound infections and their resistance to antibiotics. *Burns* 2002;28:340-48.
11. Roy S, Singh AK, Viswanathan R, Nandy RK, Basu S. Transmission of imipenem resistance determinants during the course of an outbreak of ndm-1 *Escherichia coli* in a sick newborn care unit. *J Antimicrob Chemother* 2011 Dec; 66(12):2773-80.
12. Drawz SM, Bonomo RA. Three decades of beta-lactamase inhibitors. *Clin Microbiol Rev* 2010 Jan; 23(1):160-201.
13. Pasteran F, Faccone D, Petroni A, Rapoport M, Galas M. Novel variant(*blavim-11*) of the metallo- β -lactamase *blavim* family in a *ges-1* extended spectrum- β -lactamase-producing *Pseudomonas aeruginosa* clinical isolate in argentina. *Antimicrob Agents Chemother* 2005;49(1):474-75.
14. Lascols C, Hackel M, Marshall SH, Hujer AM, Bouchillon S, Badal R, et al. Increasing prevalence and dissemination of ndm-1 metallo- β -lactamase in India: Data from the smart study (2009). *J Antimicrob Chemother* 2011 Sep; 66(9):1992-7.
15. Fazeli H, Moslehi Tekantapeh Z, Irajian GHR, Salehi M. Determination of drug resistance patterns and detection of *blavim* gene in *Pseudomonas aeruginosa* strains isolated from burned patients in the Imam Mosa Kazem hospital, Isfahan, Isfahan, Iran (2008-9). *Iran J Med Microbiol* 2010;3(4):1-8. [Full Text in persian]
16. Khosravi AD, Mihani F. Detection of metallo-beta-lactamase-producing *Pseudomonas aeruginosa* strains isolated from burn patients in Ahwaz, Iran. *Diagn Microbiol Infect Dis* 2008;60(1):125-8.
17. Shakibaie MR, Shahcheraghi F, HashemiA, Adeli NS. Detection of *tem*, *shv* and *per* type extended-spectrum β -lactamase genes among clinical strains of *Pseudomonas aeruginosa* isolated from burnt patients at Shafa-hospital, Kerman, Iran. *Iran J Basic Med Sci* 2008;2(11):104-111.
18. Altoparlak U, Aktas F, Celebi D, Ozkurt Z, Akcay MN. Prevalence of metallo- β - lactamase among *Pseudomonas aeruginosa* and *Acinetobacter baumannii* isolated from burn wounds and invitro activities of antibiotic combinations against these isolates. *Burns* 2005;31:707-10.
19. Marra AR, Pereira CAP, Gales AC, Menezes LC, Cal RGR, de Souza JMA, et al. Bloodstream infections with metallo- β -lactamase producing *Pseudomonas aruginosa*: Epidemiology, microbiology, and clinical outcomes. *Antimicrob Agents Chemother* 2006;50(1):388-90.
20. Shahcheraghi F, Nikbin VS, Shooraj F, Shafiei M. The study of *blaspm*, *bla vim*, *bla imp* metallo-beta lactamase genes among *Pseudomonas aeruginosa* isolated from Imam Khomeini hospital of Tehran. *J Shahid Beheshti Univ (Pejouhandeh)* 2009;2:68-72.
21. Tewfik AF, Shibl AM, Aljohi MA, Altammami MA, Al-Agamy MH. Distribution of ambler class a, b and d β -lactamases among *Pseudomonas aeruginosa* isolates. *Burns* 2012 Sep; 38(6):855-60.
22. Nelly M, Raafat D. Phenotypic and genotypic detection of metallo-beta-lactamases in imipenem-resistant *Acinetobacter baumannii* isolated from a Tertiary Hospital in Alexandria, Egypt. *Res J Microbio* 2011;6(10):750-760.
23. Yoo JS, Yang J, Kim HM, Byeon J, Kim HS, Yoo JI, et al. Dissemination of genetically related *imp-6*-roducing multidrug-resistant *Pseudomonas aeruginosa* st235 in South Korea. *Int J Antimicrob Agents* 2012 Apr; 39(4):300-4.