

## بررسی پلی مورفیسم کدون ۷۲ ژن TP۵۳ در بیماران مبتلا به آندومتريوزيسدر شهر اصفهان

دکتر مهدی نیکبخت دستجردی<sup>۱</sup>، بهرام اسلامی فارساني<sup>۲</sup>، دکتر روشنک ابوترابی<sup>۱</sup>،  
دکتر رسول صالحی<sup>۱</sup>، دکتر محمد حسین صانعی<sup>۳</sup>

### خلاصه

**مقدمه:** آندومتريوزيس یک بیماری شایع در زنان می باشد که توسط رشد بافت آندومتر در خارج از حفره ی رحم ایجاد می شود و علت آن همچنان نامعلوم است. کدون ۷۲ از ۴ ژن P۵۳ دارای پلی مورفیسم شایعی است که زمینه ی ابتلا به بیماری های متعددی از جمله آندومتريوزيس را فراهم می نماید.

**روش ها:** در این تحقیق، بررسی پلی مورفیسم کدون ۷۲ ژن TP۵۳ در ۹۰ بیمار مبتلا به آندومتريوزيس و ۹۰ فرد سالم به عنوان گروه شاهد در شهر اصفهان انجام شد. ژنوتیپ های مختلف کدون ۷۲ ژن TP۵۳ با استفاده از واکنش زنجیره ای پلیمرز (PCR یا Polymerase chain reaction) مشخص شد.

**یافته ها:** فراوانی ژنوتیپ (Arginine/Arginine) Arg/Arg و (Proline/Proline) Pro/Pro به ترتیب در نمونه های آندومتريوزيس ۲۸/۹ و ۱۵/۶ درصد و در نمونه های سالم ۴۲/۲ و ۳/۳ درصد بود. فراوانی افراد هتروزیگوت Arg/Pro در گروه آندومتريوزيس ۵۵/۶ درصد و در گروه سالم ۵۴/۴ درصد بود. در مقایسه بین فراوانی ژنوتیپ Pro/Pro با دو ژنوتیپ دیگر در دو گروه تفاوت معنی دار آماری بین گروه شاهد و آندومتريوزيس دیده شد.

**نتیجه گیری:** تحقیق حاضر نشان داد که ژنوتیپ Pro/Pro کدون ۷۲ ژن TP۵۳ یک عامل ژنتیکی مستعد کننده برای ابتلا به آندومتريوزيس در شهر اصفهان می باشد.

**واژگان کلیدی:** پلی مورفیسم، کدون ۷۲ ژن P۵۳، آندومتريوزيس.

### مقدمه

ایجاد می شود و باعث ایجاد اختلالاتی مانند مقاربت دردناک، قاعدگی دردناک و درد لگنی و نازایی می شود (۴). برای توضیح علت این بیماری، تئوری رفلاکس قاعدگی به طور گسترده مطرح شده است. این نظریه می گوید ماکروفاژهای صفاق بیماران مبتلا به آندومتريوزيس به طور مؤثر قادر به فاگوسیت کردن بافت آندومتر که از طریق لوله های رحمی به صفاق وارد شده اند نیستند و سلول های آندومتر که زنده می مانند رشد موضعی یافته، طی مراحل قاعدگی بعدی

آندومتريوزيس یک بیماری شایع در زنان می باشد و خصوصياتی مشابه تومورهای بدخیم را دارا می باشد که علت آن کماکان نامشخص است. این بیماری حدود ۱۰ درصد جمعیت زنان را شامل می گردد (۱) و حدود ۱۸ درصد زنان در سن حاملگی به این بیماری مبتلا هستند (۲) که این نسبت در جمعیت زنان نابارور به حدود ۳۰ تا ۴۰ درصد می رسد (۳). آندومتريوزيس توسط رشد بافت آندومتر در خارج از حفره ی رحمی

<sup>۱</sup> دانشیار، گروه علوم تشریحی و بیولوژی مولکولی، دانشکده ی پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی اصفهان، اصفهان، ایران.

<sup>۲</sup> دانشجوی کارشناسی ارشد، گروه علوم تشریحی و بیولوژی مولکولی، دانشکده ی پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی اصفهان، اصفهان، ایران.

<sup>۳</sup> دانشیار، گروه پاتولوژی دانشکده ی پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی اصفهان، اصفهان، ایران.

بر تجمع آنها افزوده می شود (۵).

برخی از نقایص ژنتیکی قابل توارث ممکن است در ایجاد این بیماری نقش داشته باشند (۶). مشخص شده است که کروموزوم شماره ۱۷ در این بیماری دچار نقص می گردد (۷). چون ژن TP۵۳ که یکی از معروف ترین ژن های مهارکننده ی تومور می باشد، روی بازوی کوتاه کروموزوم شماره ۱۷ واقع است (۸)، آنپلوئیدی کروموزوم شماره ۱۷ ممکن است عملکرد ژن TP۵۳ را مختل ساخته و بنابراین باعث پیشرفت آندومتريوزيس گردد. محصول این ژن یعنی پروتئین TP۵۳ دارای نقش محوری در تعدیل رشد، تقسیم و آپوپتوز سلولی می باشد (۹). این ژن در حدود ۶۰ درصد از سرطان های انسانی درگیر می باشد. موتاسیون ژن TP۵۳ باعث افزایش تزايد سلولی، از دست رفتن آپوپتوز سلولی و افزایش بی ثباتی ژنتیکی می گردد (۱۰). افرادی که دچار کمبود و یا فقدان این ژن هستند در معرض خطر پیشرفت تومور قرار دارند (۱۱). این ژن دارای ۱۱ اگزون (Exon) می باشد (۱۲).

به تازگی مشخص شده است که کدون ۷۲ اگزون شماره ۴ ژن TP۵۳ دارای پلی مورفیسیم شایعی است که در نتیجه ی آن ممکن است دو آلل ایجاد شود یکی آرژینین (Arg) با توالی CGC (اجتماع سه نوکلئوتید سیتوزین، گوانین، سیتوزین که سه رمز نوکلئوتیدی می باشد) و دیگری پرولین (Pro) با توالی CCC (اجتماع سه نوکلئوتید سیتوزین، سیتوزین، سیتوزین). با توجه به امکان وجود این دو آلل سه ژنوتیپ مختلف Arg/Arg، Arg/Pro و Pro/Pro ممکن است ایجاد شوند (۱۳).

این ژنوتیپ ها در جمعیت های مختلف جغرافیایی و نژادی اثرات متفاوتی در ابتلا به این بیماری دارد و با

توجه به این که این پلی مورفیسیم وابسته به موقعیت جغرافیایی و نژادی است (۱۴) و فراوانی آندومتريوزيس با آن مرتبط است، هدف از مطالعه ی حاضر بررسی این پلی مورفیسیم در زنان مبتلا به آندومتريوزيس و مقایسه ی آن با نمونه های سالم در شهر اصفهان بود.

### روش ها

در این مطالعه از ۹۰ نمونه ی آندومتريوزيس به عنوان گروه مورد و ۹۰ نمونه ی خونی افراد سالم به عنوان شاهد استفاده شد. پس از جمع آوری نمونه ها، توسط روش های استاندارد، DNA استخراج گردید. در مرحله ی بعدی توالی پلی مورفیسیم کدون ۷۲ ژن TP۵۳ توسط واکنش زنجیره ای پلیمرز (Polymerase chain reaction) یا PCR) و با استفاده از جفت پرایمرهای اختصاصی برای پرولین و آرژینین تکثیر یافت. سپس محصول PCR روی ژل آگاروز الکتروفورز شده و باندهای تشکیل شده توسط رنگ آمیزی Ethidium bromide قابل مشاهده شد. پس از انجام PCR، ژنوتیپ نمونه های آندومتريوزيس و نمونه های سالم مشخص گردید.

برای استخراج DNA از نمونه های تازه استفاده شد. بافت آندومتريوزيس از بخش های جراحی دریافت شد و بعد از تشخیص پاتولوژی به قطعات کوچکی تقسیم گردید و در مرحله ی بعد توسط پروتئیناز K هضم گردید. سپس با اضافه نمودن اتانول ساترئیفوز انجام شد و در نهایت DNA در لوله ی ۱/۵ میلی لیتری جمع آوری گردید (۱۵، ۳).

سپس سه یا پنج قطعه از برش های بافتی به ضخامت ۴-۵ میکرومتر در میکروتیوپ ۱/۵ میلی لیتری

جمع‌آوری شد و با اضافه نمودن گزلیل سانتريفوز انجام گرفت و پس از آن گزلیل دور ریخته شد. در مرحله‌ی بعد با اضافه نمودن اتانول سانتريفوز انجام شد و در نهایت با استفاده از روش استاندارد، استخراج DNA انجام گرفت (۱۵، ۳)

برای جمع‌آوری نمونه‌های خونی افراد سالم، بعد از همسان کردن افراد سالم با بیماران، حدود ۱ میلی‌لیتر از خون محیطی آن‌ها جمع‌آوری شد و با اضافه نمودن بافر لیز سلولی و سانتريفوز، گلبول‌های سفید و قرمز لیز شدند. سپس با استفاده از روش استاندارد، استخراج DNA انجام گردید (۱۶، ۳).

DNA نمونه‌ها پس از استخراج از بافت‌های آندومتريوزيس و نمونه‌های خونی با روش اسپکتروفتومتری مورد ارزیابی قرار گرفتند.

اندازه‌گیری DNA با اسپکتروفتومتر روشی ساده و در عین حال دقیق است. در این روش، ارزیابی DNA در طول موج ۲۶۰ تا ۲۸۰ نانومتر انجام می‌شود. جذب نوری (OD) در ۲۶۰ نانومتر غلظت DNA را نشان می‌دهد. با تعیین نسبت OD در طول موج‌های ۲۶۰ و ۲۸۰ نانومتر (نسبت  $A_{260}/A_{280}$ ) می‌توان درجه‌ی خلوص DNA را محاسبه کرد. اگر این عدد بین ۱/۶ تا ۲ باشد، میزان خلوص DNA استخراج شده مطلوب خواهد بود. آلودگی با پروتئین و فنل موجب کاهش چشمگیر در این نسبت می‌شوند. این نسبت میزان صحیح اسیدنوکلیک را مشخص نمی‌کند بلکه نشان‌دهنده‌ی کیفیت پایین DNA استخراج شده است که استخراج DNA و Purification مجدد را می‌طلبد، در غیر این صورت مراحل بعدی کار با مشکل روبه‌رو خواهد شد.

برای تکثیر توالی پلی مورفیک کدون ۷۲ ژن TP53

از PCR استفاده شد. تکثیر پرولین و آرژینین توسط PCR از طریق استفاده از ۳۰۰-۱۰۰ نانوگرم DNA، ۱ واحد تک پلی‌مراز، ۱/۵ میلی‌مول  $MgCl_2$  و ۲۰۰ میکرومول از هر یک از dATP، dCTP، dTTP، dGTP و ۲ میکروگرم از هر یک از زوج پرایمرهای اختصاصی انجام گرفت (۱۳).

توالی پرایمرهای اختصاصی برای تکثیر پرولین عبارت از F: GCCAGAGGCTGCTCCCCC و R: CGTGCAAGTCACAGACTT بود؛ توالی پرایمرهای اختصاصی برای تکثیر آرژینین نیز عبارت از F: TCCCCCTTGCCGTCCTCAA و R: CTGGTGCAGGGGCCACGC بود.

تنظیم دستگاه ترموسایکلر برای تکثیر توالی پلی مورفیسیم کدون ۷۲ از ژن TP۵۳ به ترتیب زیر انجام گرفت:

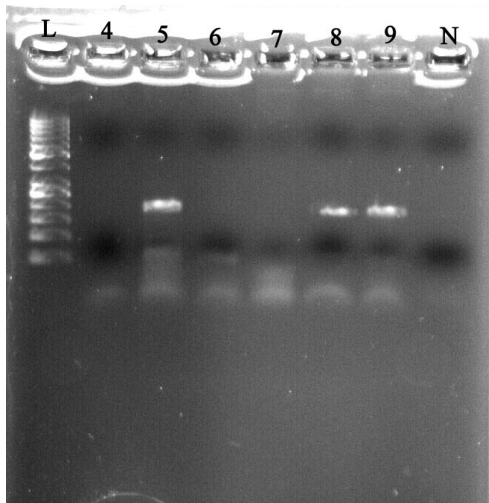
مرحله‌ی اول: Denaturation ابتدایی با دمای ۹۴ درجه‌ی سانتی‌گراد به مدت ۳ دقیقه.

مرحله‌ی دوم شامل ۳۵ سیکل بود که خود از سه بخش تشکیل شد: Denaturation با دمای ۹۴ درجه‌ی سانتی‌گراد به مدت ۳۰ ثانیه، Annealing با دمای ۵۴ درجه‌ی سانتی‌گراد برای تکثیر پرولین و با دمای ۶۰ درجه‌ی سانتی‌گراد برای تکثیر آرژینین و Extension با دمای ۷۲ درجه‌ی سانتی‌گراد به مدت ۳۰ ثانیه.

مرحله‌ی سوم: Extension نهایی با دمای ۷۲ درجه‌ی سانتی‌گراد به مدت ۵ دقیقه.

بعد از اتمام کار محصول RCR تا زمان الکتروفورز در یخچال نگهداری شد.

سپس حدود ۲۰ میکرولیتر از محصول واکنش همراه با ۴ میکرولیتر Loading buffer در ژل آگاروز ۲ درصد در بافر  $TBE \times 0.5$  الکتروفورز شد و روی یک



شکل ۲. الکتروفورز برای آلل پرولین

نمونه‌های شماره ۵، ۸ و ۹ دارای باند و نمونه‌های ۴، ۶ و ۷ فاقد باند می‌باشند. L مارکر و N کنترل منفی می‌باشد.

توزیع ژنوتیپ‌های کدون ۷۲ در آگزون ۴ در گروه شاهد و بیمار در جدول ۱ نشان داده شده است. تفاوت در توزیع ژنوتیپی در دو گروه مورد بررسی دیده شد.

جدول ۱. توزیع فراوانی ژنوتیپی در گروه شاهد و آندومتريوزيس

ژنوتیپ	آندومتريوزيس	شاهد
Arg/Arg	۲۶ (۲۸/۹)	۳۸ (۴۲/۲)
Pro/Pro	۱۴ (۱۵/۶)	۳ (۳/۳)
Arg/Pro	۵۰ (۵۵/۶)	۴۹ (۵۴/۴)

تفاوت معنی‌دار آماری بین گروه شاهد و آندومتريوزيس از نظر فراوانی ژنوتیپی Pro/Pro دیده شد و این ژنوتیپ در بروز آندومتريوزيس مؤثر بود ( $P < 0.05$ , CI: ۱/۴۷-۱۹/۲۹, OR = ۵/۳۴).

### بحث

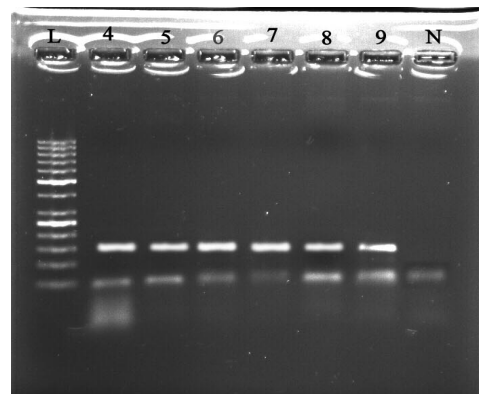
تحقیقات نشان داد که عواملی مانند پلی مورفیسم ژنتیکی می‌تواند بیان کننده‌ی تفاوت افراد در میزان بروز سرطان باشد. آندومتريوزيس خصوصياتی مشابه

UV Transluminator مشاهده گردید (۲۱، ۳). پس از الکتروفورز اندازه‌ی محصول PCR برای الل آرژینین ۱۴۱ bp و برای الل پرولین ۱۷۷ bp بود.

اطلاعات به دست آمده از طریق نرم‌افزار SPSS (SPSS Inc., Chicago, IL) مورد تجزیه و تحلیل آماری قرار گرفت. برای مقایسه‌ی توزیع فراوانی سه ژنوتیپ مختلف کدون ۷۲ در نمونه‌های آندومتريوزيس با توزیع فراوانی این سه ژنوتیپ در نمونه‌های شاهد از آزمون  $\chi^2$  استفاده شد. مقدار P کوچک‌تر از ۰/۰۵ معنی‌دار تلقی گردید.

### یافته‌ها

در این مطالعه، ۹۰ نمونه‌ی آندومتريوزيس به عنوان گروه مورد و ۹۰ نمونه‌ی خونی از افراد سالم به عنوان گروه شاهد در شهر اصفهان جمع‌آوری و DNA آن‌ها با روش‌های استاندارد استخراج شد. در مرحله‌ی بعد PCR انجام شد. سن نمونه‌ها بین ۲۳ تا ۵۰ سال بود. برای مشخص نمودن پلی مورفیسم کدون ۷۲ از ژن TP۵۳ با استفاده از PCR، آلل آرژینین با اندازه‌ی ۱۴۱ جفت باز (شکل ۱) و آلل پرولین با اندازه‌ی ۱۷۷ جفت باز (شکل ۲) به طور اختصاصی مشخص شد.



شکل ۱. ژن الکتروفورز برای آلل آرژینین

نمونه‌های ۴ تا ۹ دارای باند هستند. L مارکر و N کنترل منفی است. باندهای موجود در انتهای شکل پرایمر دایمر می‌باشند.

تومورهای بدخیم را دارا می‌باشد که علت آن کماکان نامعلوم است (۱). تغییرات مولکولی از جمله پلی مورفیسیم ژن TP۵۳ با رشد و توسعه این بیماری ارتباط دارد. پلی مورفیسیم اشکال متفاوتی دارد که یکی از انواع آن تغییر در کدون و به دنبال آن تغییر در پروتئین ایجاد شده است. این تغییر منجر به ایجاد تفاوت در عملکرد پروتئین اصلی می‌شود. عملکرد طبیعی پروتئین TP۵۳ محافظت از ژنوم در مقابل صدمات وارده است که منجر به ترمیم ژنوم و یا آپوپتوز می‌شود و از این طریق سلول‌های کارسینوژنیک را حذف می‌نماید (۱۷). پلی مورفیسیم شایع G-to-C در ژن TP۵۳ موجب تبدیل آرژینین به پرولین در ساختمان پروتئین می‌شود. نقش پلی مورفیسیم آرژینین/پرولین در استعداد ابتلا به آندومتريوزيس در چند تحقیق بررسی و نتایج ضد و نقیضی ارائه گردیده است.

Chang و همکاران گزارش نمودند که در یک جمعیت چینی رابطه‌ای بین آلل پرولین و آندومتريوزيس وجود دارد. به گفته‌ی آن‌ها یک نقش حفاظتی از طرف ژنوتیپ هوموزیگوتی Arg/Arg در مقابل بیماری وجود داشت (۸). این رابطه در یک جمعیت تایوان نیز تصدیق شده است (۱۸). طبق نظر این محققان، ژنوتیپ هوموزیگوتی Arg/Arg در کدون ۷۲ استعداد و قابلیت پائینی برای ابتلا به آندومتريوزيس داشت، در حالی که آلل هوموزیگوتی یا هتروزیگوتی پرولین استعداد بالاتری برای ابتلا به این بیماری داشت (۱۸). اما این موضوع در یک جمعیت ژاپنی تأیید نشد (۱۹). نتایج مطالعه‌ی Omori و همکاران بر روی یک جمعیت ژاپنی نشان داد که ژنوتیپ Arg/Arg در مقایسه با ژنوتیپ Arg/Pro و Pro/Pro با افزایش خطر ابتلا به آندومتريوزيس ارتباط دارد (۱۹).

در یک بررسی که به تازگی بر روی جمعیتی از شهر میلان در کشور ایتالیا انجام شد، Lattuada و همکاران چنین رابطه‌ای را مشاهده نکردند، بلکه فراوانی بیشتر آلل پرولین در انواع وخیم‌تر این بیماری دیده شد (۲۰). همچنین Ammendola و همکاران در مورد زنان شهر رم در ایتالیا نیز به چنین نتیجه‌ای دست یافتند (۲۱).

در مطالعه‌ای در کشور برزیل، تفاوت معنی‌داری در توزیع پلی مورفیسیم ۷۲ کدون TP۵۳ بین گروه‌ها مشاهده نشد. با این وجود آلل پرولین در موارد شدیدتر بیماری شیوع بیشتری داشت. همچنین نشان داده شده است که در بیماران مبتلا به آندومتريوزيس که در آن‌ها نازایی وجود داشته است، آلل پرولین شیوع بیشتری دارد (۲۲).

بر خلاف این نتایج، Omori و همکاران رابطه‌ای بین آندومتريوزيس و پلی مورفیسیم کدون ۷۲ Pro پیدا نکردند (۱۹).

در تحقیق حاضر تفاوت در توزیع فراوانی ژنوتیپی بین افراد گروه شاهد و افراد مبتلا به آندومتريوزيس دیده شد. نتایج این بررسی نشان داد که شاید آلل Pro/Pro را بتوان به عنوان یک خطر احتمالی برای ابتلا به آندومتريوزيس در شهر اصفهان در نظر گرفت. این یافته با نتایج ارائه شده توسط Change بر روی یک جمعیت چینی (۸) و نیز Lattuada بر روی جمعیت شهر میلان ایتالیا (۲۰) همخوانی داشت.

بنا بر نتایج بررسی حاضر می‌توان گفت که پلی مورفیسیم کدون ۷۲ ژن TP۵۳ یکی از عوامل زمینه‌ساز برای ایجاد آندومتريوزيس در شهر اصفهان محسوب می‌شود و حداقل می‌توان گفت کسانی که این ژنوتیپ را دارند بیشتر مستعد ابتلا به آندومتريوزيس

آنزیم‌های کبدی شده، سطح استروژن را کاهش می‌دهند را نیز استفاده کرد. با این وجود انجام مطالعات بیشتر با حجم نمونه‌ی بیشتر همراه با بررسی سایر عوامل زمینه‌ساز که سیستم ایمنی را تضعیف می‌کنند مانند کشیدن سیگار و رژیم غذایی و یا ابتلا به برخی بیماری‌ها لازم است.

### تشکر و قدردانی

در پایان از استاد محترم گروه آمار، آقای دکتر سید محسن حسینی، پرسنل محترم گروه پاتولوژی بیمارستان‌های الزهرا (س)، شهید بهشتی و مهرگان و خانم زهرا صفی‌زاده، که ما را در جمع‌آوری بلوک‌های آندومتریوزیس یاری کردند، کمال تقدیر و تشکر را اعلام می‌داریم.

هستند و یا برعکس (یعنی کسانی که مبتلا به آندومتریوزیس می‌باشند احتمال این که ژنوتیپ آن‌ها Pro/Pro باشد بیشتر از بقیه ژنوتیپ‌های Arg/Arg و یا Pro/Arg می‌باشد). به عبارتی ساده‌تر ژنوتیپ Pro/Pro می‌تواند به عنوان یک مارکر برای شناسایی افراد مبتلا به آندومتریوزیس در شهر اصفهان باشد. با داشتن این اطلاعات و شناخت این ژنوتیپ غالب می‌توان افراد حاوی این ژنوتیپ را بهتر و زودتر درمان کرد و حتی پیش‌گیری قبل از درمان را به کار برد.

به عنوان مثال موادی مانند چای سبز، هویج و حبوبات و غلات که سیستم ایمنی را قوی می‌کند، برای پیش‌گیری از ابتلا به آندومتریوزیس توصیه شده است و یا برعکس لبنیات کمتر مصرف شود. می‌توان موادی مانند روغن ماهی که باعث افزایش سطح فعالیت

### References

1. Chadha DR, Buttram VC, Editor. Current concepts in endometriosis. Proceedings of the Second International Symposium on Endometriosis. Houston, Texas, May 1-3, 1989. New York: John Wiley & Sons. p. 17-23.
2. Wieser F, Schneeberger C, Tong D, Tempfer C, Huber JC, Wenzl R. PROGINS receptor gene polymorphism is associated with endometriosis. *Fertil Steril* 2002; 77(2): 309-12.
3. Strathy JH, Molgaard CA, Coulam CB, Melton LJ, III. Endometriosis and infertility: a laparoscopic study of endometriosis among fertile and infertile women. *Fertil Steril* 1982; 38(6): 667-72.
4. Bischoff FZ, Simpson JL. Heritability and molecular genetic studies of endometriosis. *Hum Reprod Update* 2000; 6(1): 37-44.
5. Seli E, Berkkanoglu M, Arici A. Pathogenesis of endometriosis. *Obstet Gynecol Clin North Am* 2003; 30(1): 41-61.
6. Treloar SA, O'Connor DT, O'Connor VM, Martin NG. Genetic influences on endometriosis in an Australian twin sample. *sueT@qimr.edu.au. Fertil Steril* 1999; 71(4): 701-10.
7. Kosugi Y, Elias S, Malinak LR, Nagata J, Isaka K, Takayama M, et al. Increased heterogeneity of chromosome 17 aneuploidy in endometriosis. *Am J Obstet Gynecol* 1999; 180(4): 792-7.
8. Chang FH, Tzeng DS, Lee TM, Chen TC, Hsu LS, Lung FW. Mutations in the p53 tumor suppressor gene in colorectal cancer in Taiwan. *Kaohsiung J Med Sci* 2003; 19(4): 151-8.
9. Levine AJ. p53, the cellular gatekeeper for growth and division. *Cell* 1997; 88(3): 323-31.
10. Vogelstein B. Cancer. A deadly inheritance. *Nature* 1990; 348(6303): 681-2.
11. Harris CC, Hollstein M. Clinical implications of the p53 tumor-suppressor gene. *N Engl J Med* 1993; 329(18): 1318-27.
12. Knudson AG, Jr. Hereditary cancer, oncogenes, and antioncogenes. *Cancer Res* 1985; 45(4): 1437-43.
13. Storey A, Thomas M, Kalita A, Harwood C, Gardiol D, Mantovani F, et al. Role of a p53 polymorphism in the development of human papillomavirus-associated cancer. *Nature* 1998; 393(6682): 229-34.
14. Buller RE, Sood A, Fullenkamp C, Sorosky J, Powills K, Anderson B. The influence of the p53 codon 72 polymorphism on ovarian carcinogenesis and prognosis. *Cancer Gene Ther* 1997; 4(4): 239-45.
15. Thomas M, Kalita A, Labrecque S, Pim D, Banks L, Matlashewski G. Two polymorphic variants of wild-type p53 differ biochemically and biologically. *Mol Cell Biol* 1999; 19(2): 1092-100.

16. Robles AI, Linke SP, Harris CC. The p53 network in lung carcinogenesis. *Oncogene* 2002; 21(45): 6898-907.
17. Gomez-Lazaro M, Fernandez-Gomez FJ, Jordan J. p53: twenty five years understanding the mechanism of genome protection. *J Physiol Biochem* 2004; 60(4): 287-307.
18. Hsieh YY, Lin CS. P53 codon 11, 72, and 248 gene polymorphisms in endometriosis. *Int J Biol Sci* 2006; 2(4): 188-93.
19. Omori S, Yoshida S, Kennedy SH, Negoro K, Hamana S, Barlow DH, et al. Polymorphism at codon 72 of the p53 gene is not associated with endometriosis in a Japanese population. *J Soc Gynecol Investig* 2004; 11(4): 232-6.
20. Lattuada D, Vigano P, Somigliana E, Abbiati A, Candiani M, Di Blasio AM. Analysis of the codon 72 polymorphism of the TP53 gene in patients with endometriosis. *Mol Hum Reprod* 2004; 10(9): 651-4.
21. Ammendola M, Gloria-Bottini F, Sesti F, Piccione E, Bottini E. Association of p53 codon 72 polymorphism with endometriosis. *Fertil Steril* 2008; 90(2): 406-8.
22. Ribeiro Junior CL, Arruda JT, Silva CT, Moura KK. Analysis of p53 codon 72 gene polymorphism in Brazilian patients with endometriosis. *Genet Mol Res* 2009; 8(2): 494-9.

## Analysis of TP53 Codon 72 Gene Polymorphism in Patients with Endometriosis in Isfahan

Mehdi Nikbakht Dastjerdi PhD<sup>1</sup>, Bahram Eslami Farsani<sup>2</sup>, Roshanak Abutorabi PhD<sup>1</sup>,  
Rasul Salehi PhD<sup>1</sup>, Mohammad Hossein Sanei MD<sup>3</sup>

### Abstract

**Background:** Endometriosis is a common disease among women which is a result of endometrial tissue growth outside the uterus. However, its cause is still unclear. This study surveyed TP53 codon 72 gene polymorphism among 90 patients suffering from endometriosis and 90 healthy subjects, as the control group, in Isfahan.

**Methods:** Different genotypes of TP53 codon 72 gene were determined by polymerase chain reaction (PCR).

**Findings:** The frequency of Arg/Arg (Arginine/Arginine) genotype in subjects with endometriosis and healthy individuals were 28.9% and 42.2%, respectively. In addition, the frequency of Pro/Pro (Proline/Proline) genotype in patients with endometriosis and healthy participants were 15.6% and 3.3%, respectively. The frequency of heterozygotes Arg/Pro was 55.6% in endometriosis patients and 54.45% in healthy subjects. Comparing the frequency of Pro/Pro genotype with the two other genotypes in both groups revealed a statistically significant difference between the control and endometriosis groups [ $P < 0.05$ ; CI = 95%; OR = 5.34 (range: 1047-19.29)].

**Conclusion:** The present research showed that Pro/Pro genotype of TP53 codon 72 gene is a predisposing genetic factor for endometriosis occurrence in Isfahan.

**Keywords:** Polymorphism, TP53 codon 72 gene, Endometriosis.

<sup>1</sup> Associate Professor, Department of Anatomical Sciences and Molecular Biology, School of Medicine, Isfahan University of Medical Sciences, Isfahan, Iran.

<sup>2</sup> MSc Student, Department of Anatomical Sciences and Molecular Biology, School of Medicine, Isfahan University of Medical Sciences, Isfahan, Iran.

<sup>3</sup> Associate Professor, Department of Pathology, School of Medicine, Isfahan University of Medical Sciences, Isfahan, Iran.

**Corresponding Author:** Mehdi Nikbakht Dastjerdi PhD, Email: nikbakht@med.mui.ac.ir